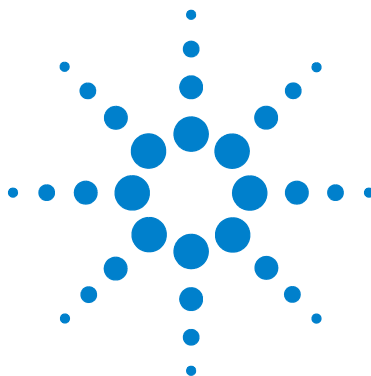




Agilent G1701DA GC/MSD ChemStation

入門



Agilent Technologies

注意

© Agilent Technologies, Inc. 2006

米国著作権法および国際著作権法に定められているとおり、Agilent Technologies, Inc. の事前の合意および書面による許諾なしに、このマニュアルの全部または一部をいかなる形態（電子データや検索用データまたは他国語への翻訳など）あるいはいかなる手段をもっても複製することはできません。

マニュアル製品番号

G1701-96061

版

2006 年 6 月

Printed in USA

Agilent Technologies, Inc.

5301 Stevens Creek Boulevard

Santa Clara, CA 95052

保証

このマニュアルに記載されている内容は、「現時点」の状況を前提としており、以後の改訂版では事前の通知なしに変更されることがあります。また、適用法が許容する最大限の範囲において、Agilent はこのマニュアルおよびこのマニュアルに記載されているすべての情報に関し、商品性や特定用途への適合性についての黙示保障など、明示または黙示を問わず、一切の保証はいたしません。Agilent は、このマニュアルまたはこのマニュアルに記載されている情報の提供、使用または行使に関連して生じた過失、あるいは付随的損害または間接的損害に対し、責任を負わないものとします。このマニュアルに記載されている要素に関して保証条件付きの書面による合意が Agilent とお客様との間に別途にあり、その内容がここに記載されている条件と矛盾する場合、別途に合意された保証条件が優先されるものとします。

安全上の注意

注意

注意は、取り扱い上、危険があることを示します。正しく実行または遵守しないと、この製品が破損したり、重要なデータを損失したりする可能性のある操作手順や操作法などに注意を促すマークです。注意の部分でいったん作業をやめ、記載されている条件を完全に理解し、すべてを満たすまでは、先に進まないでください。

警告

警告は、取り扱い上、危険があることを示します。正しく実行または遵守しないと、怪我または死亡につながる可能性のある操作手順や操作などに注意を促すマークです。警告の部分でいったん作業をやめ、記載されている条件を完全に理解してすべてを満たすまでは、先に進まないでください。

目次

1 GC/MSD ChemStation クイックリファレンス

このマニュアルの内容	6
ヘルプ情報	7
今回の改訂内容	15
ハードウェア	16
ChemStation の画面	19
一般的な ChemStation の作業	28
エラーメッセージとトラブルシューティング	49

2 定量を理解する

定量	56
定量データベース	59
チュートリアル — 自動定量設定 (AutoQuant Setup) の 使用方法	67

3 Custom Reports を使用する

Custom Reports	84
レポートテンプレートの作成	85
レポートのカスタマイズ	89
セル、行、列の選択	94
レポートの印刷	96
Custom Reports データベースの作成	99
複数のデータファイルの選択	102
グラフの表示と印刷	104



1

GC/MSD ChemStation クイック リファレンス

このマニュアルの内容	6
ヘルプ情報	7
今回の改訂内容	15
ハードウェア	16
ChemStation の画面	19
一般的な ChemStation の作業	28
エラーメッセージとトラブルシューティング	49



このマニュアルの内容

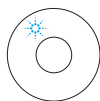
このマニュアルでは、お使いのシステムに装備されているアイテムについて概要を説明します。GC/MSD システムを初めて使用するときに役立つように構成されています。

以下のような内容があります。

- 追加のヘルプを見つけるための詳細手順
- 主要な部品を示したハードウェアの写真
- GC/MSD ChemStation ソフトウェアの各ツールバー
- 一般的な ChemStation の操作手順
- メンテナンススケジュールの概要
- 操作のヒント、エラーメッセージ、およびトラブルシューティングに関する簡単な説明
- GC/MSD ChemStation を使用した定量の仕組みの概要と、時間節約を可能にする AutoQuant 機能を初めて使用するときに役立つチュートリアル
- Custom Reports ソフトウェアの使用法に関するクイックガイド

詳細については、付属の CD-ROM または DVD-ROM に含まれているオンラインヘルプ、電子マニュアル、およびビデオを参照してください。

ヘルプ情報



システムには、印刷物のマニュアル、オンラインヘルプファイル、および CD-ROM または DVD-ROM の電子マニュアルを含む、幅広い参照資料が付属しています。

各ハードウェアには、何百ページもの詳細な参照資料とともに、機器の操作、メンテナンス、トラブルシューティングの方法を説明するビデオが含まれた CD-ROM または DVD-ROM が同梱されています。

このハードウェア参照資料には、以下に関する詳細な情報が含まれています。

- ハードウェアの操作
- ハードウェアのメンテナンス
- ハードウェアのトラブルシューティング



オンラインヘルプファイルには、広範なソフトウェア操作手順とともに、GC/MSD ChemStation（拡張、ガソリン芳香族、薬剤分析、環境）ソフトウェアを使用する際のチュートリアルが含まれています。以下に関する作業と参照情報も含まれています。

データ解析

- ・ データの解析
- ・ コマンドと関数
- ・ マクロの使用と記述
- ・ 用語集

MSD システム設定

- ・ 機器の設定
- ・ GPIB カードの設定方法
- ・ ネットワークのトラブルシューティング
- ・ MSDCHEM.INI 内の一般的な PCS 情報

機器コントロール

- ・ 機器コントロールの使用
- ・ MSD のトラブルシューティング
- ・ メソッドの使用
- ・ セキュリティ制御
- ・ シーケンスの使用
- ・ レポートマネージャ
- ・ データの分析
- ・ コマンドと関数
- ・ バッチモードの使用
- ・ マクロの使用と記述
- ・ MSD のチューニング（キャリブレーション）
- ・ 用語集



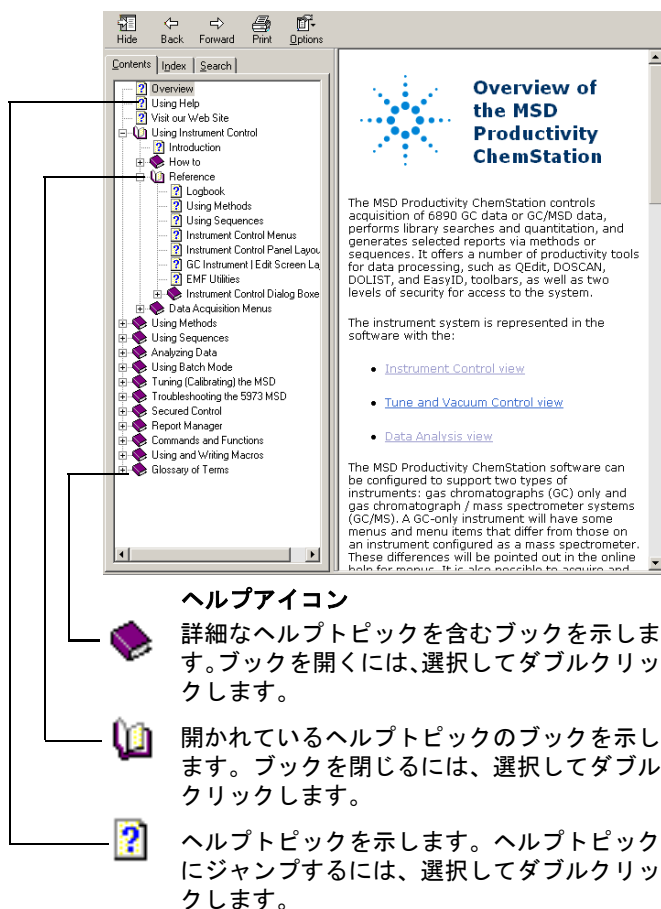
印刷物のマニュアルは、最初に機器を稼働させるまでの作業に役立つように構成されています。次のようなマニュアルがあります。

- ・ GC/MSD ChemStation 入門（このマニュアル）
- ・ サイトの準備チェックリスト
- ・ 据付チェックリスト
- ・ ハードウェア操作マニュアル
- ・ 薬剤分析入門

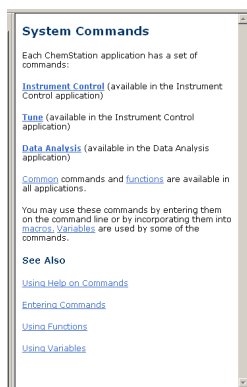
オンラインヘルプファイルの使用

オンラインヘルプファイルには、機器コントロール、データ取り込み、データ解析、メソッド、シーケンス、チューニング、トラブルシューティング、およびシステムコマンドと変数の使用方法に関する広範な情報とチュートリアルが含まれています。

オンラインヘルプにアクセスするには、ウィンドウの [ヘルプ (Help)] メニューから [ヘルプ (Help)] トピックを選択するか、ダイアログボックスでヘルプボタンをクリックします。

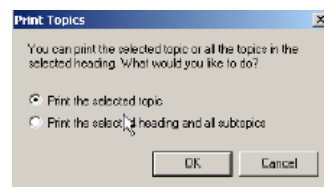
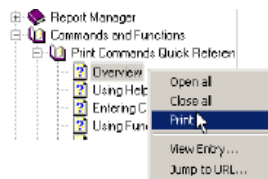


項目	説明
[隠す / 表示 (Hide/Show)]	ヘルプトピックのリストの表示 / 非表示を切り替えます。
[戻る (Back)]	前のヘルプトピックに戻ります。
[印刷 (Print)]	現在のブックまたはヘルプトピックを印刷できます。
[目次 (Contents)]	ヘルプトピックのリストを表示します (上記を参照)。
[索引 (Index)]	キーワードを使用してヘルプインデックスに特定のトピックがあるかどうか検索できます。
[検索 (Search)]	語または句を入力すると、オンラインヘルプ内のそれらの語句を含むトピックすべてのリストを表示します。
[オプション (Options)]	タブの表示など、さまざまなヘルプオプションを変更します。



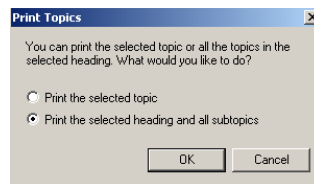
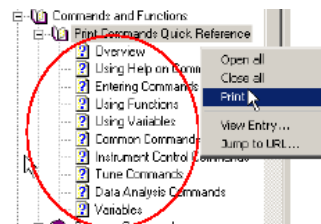
1 つのヘルプトピックを印刷するには

- 1 印刷するトピックを強調表示します（たとえば [概要 (Overview)]）。
- 2 右クリックし、[印刷 (Print...)] を選択します。
- 3 [選択したトピックを印刷 (Print the selected topic)] を選択して、[OK] をクリックします。
- 4 選択されているプリンタを確認し、[印刷 (Print)] をクリックします。
- 5 その 1 つのトピックに含まれる情報が印刷されます。それにリンクしているトピックは印刷されません。



1 つの見出しに含まれるサブトピックを一度にすべて印刷するには

- 1 印刷するトピックを強調表示します（たとえば [コマンドクイックリファレンスの印刷 (Commands Quick Reference)]）。
- 2 右クリックし、[印刷 (Print...)] を選択します。
- 3 [選択した見出しとすべてのサブトピックを印刷する (Print the selected heading and all subtopics)] を選択して、[OK] をクリックします。
- 4 選択されているプリンタを確認し、[印刷 (Print)] をクリックします。
- 5 選択したトピックの見出しに含まれるすべてのトピックについて情報が表示されます。この場合、[コマンドクイックリファレンスの印刷 (Print Commands Quick Reference)] の下にあるすべてのトピック（約 26 ページの情報）が印刷されます。



注記

[すべてのトピックを印刷 (Print all topics)] を選択したときに、カーソルが見出しの下の 1 つのトピック（たとえば [すべてのトピックを印刷 (Print all topics)]）上にあったとしても、偶然カーソル位置にあった 1 個のトピックではなく、見出しの下のすべてのトピックが印刷されます。

CD-ROM または DVD-ROM のハードウェアマニュアル

各ハードウェアには、何百ページもの参照資料とともに、機器の操作、メンテナンス、トラブルシューティングの方法を説明するビデオが含まれた CD-ROM または DVD-ROM が同梱されています。

CD-ROM または DVD-ROM のマニュアルを使用する

- 1 CD-ROM または DVD-ROM のマニュアルは Adobe Acrobat PDF 形式で収録されています。ビデオは PDF マニュアルに組み込まれます (QuickTime が必要になる場合があります)。Microsoft Media Player を使用して CD-ROM または DVD-ROM から直接視聴することもできます。
 - Adobe Acrobat Reader がない場合は、Adobe.com にアクセスして無料でダウンロードできます。
 - QuickTime は Apple.com/quicktime にアクセスして無料でダウンロードできます。

- 2 CD-ROM または DVD-ROM をディスクドライブに挿入すると、自動的に開始メニューが表示され、CD-ROM または DVD-ROM に含まれる全ブックのリストが以下のように表示されます。



Agilent Technologies

Agilent 5975B Series MSD User Information

Introduction

This CD contains the hardware manuals and videos for the Agilent 5975 Series Mass Selective Detector (MSD).

All of the user documentation is provided as Adobe® Acrobat® Portable Document Format (PDF) files. You can read these files with Adobe® Reader® software. Visit www.adobe.com to obtain a free copy of Adobe® Reader® if you do not already have it on your system.

Click on a link below to open a manual or video.

Manuals



[5975 Series MSD Operation Manual](#) (Includes videos. Look for the  icon. Also available in [Deutsch](#), [Français](#), [Español](#), [Italiano](#), and [Русский](#).)

[5975 Series MSD Troubleshooting and Maintenance Manual](#) (Includes videos. Look for the  icon.)

[5975 Series MSD Installation Checklist](#) (Also available in [Deutsch](#), [Français](#), [Español](#), [Italiano](#), and [Русский](#).)

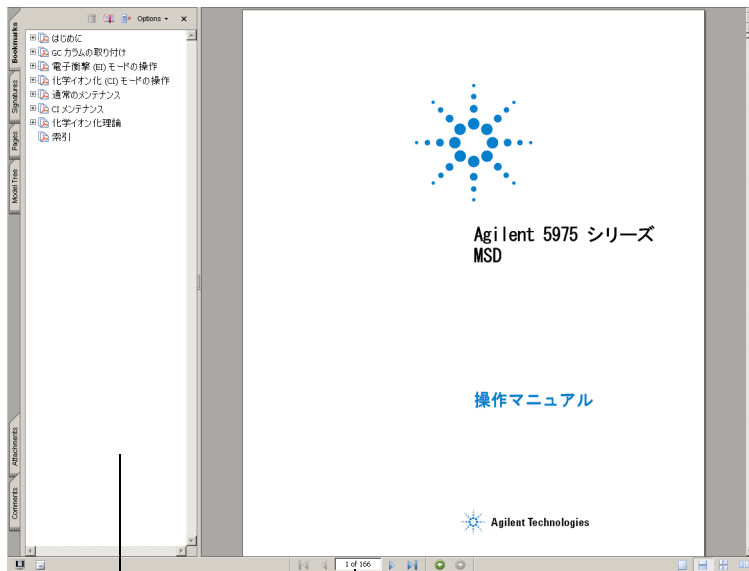
[5975 Series MSD Site Preparation Checklist](#) (Also available in [Deutsch](#), [Français](#), [Español](#), [Italiano](#), and [Русский](#).)

[MS Fundamentals](#)

ユーザー情報 (User Information) の CD-ROM または DVD-ROM の
開始メニュー例



- 3 リストされたブックの上にカーソルを置きます。カーソルが選択を表す手に変わったら、左のマウスボタンをクリックしてそのブックを選択します。ブックの最初のページとブックマークが表示されます。

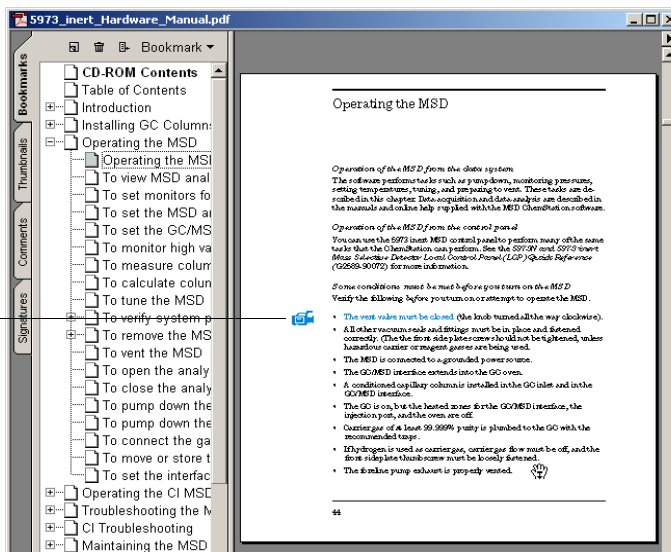


ブックマーク

ページ番号

- 4 左側の欄で [**ブックマーク (Bookmark)**] ([MSD の操作 (Operating the MSD)] など) をクリックすると、対応するページが表示されます。

ビデオ
アイコン



- 5 ビデオアイコンは、ビデオが含まれるセクションを示します。メンテナンス手順の実行方法を見るには、このアイコンをクリックします。左のマウスボタンをクリックすると、ビデオクリップが開始します。ビデオは終了すると自動的に停止します。または [Escape] を押すといつでも停止できます。

1 MSD を大気開放します。81 ページの「MSD を大気開放するには」を参照してください。

- 6 クロスリファレンスの上にカーソルを移動すると、カーソルが手になり、テキストが示されたページに電子的にリンクしていることを知らせます。示されたページにジャンプするには、クロスリファレンスをクリックします。前のページに戻るには、右クリックします。

- 7 任意の 1 ページ、または複数のページを印刷できます。[**印刷 (Print)**] を選択し、画面最下部に表示されているページ番号を使用して印刷するページ (複数選択可) を入力します。



今回の改訂内容

このバージョンで加えられた更新内容すべてに関する説明を表示するには、次の 2 つの方法があります。

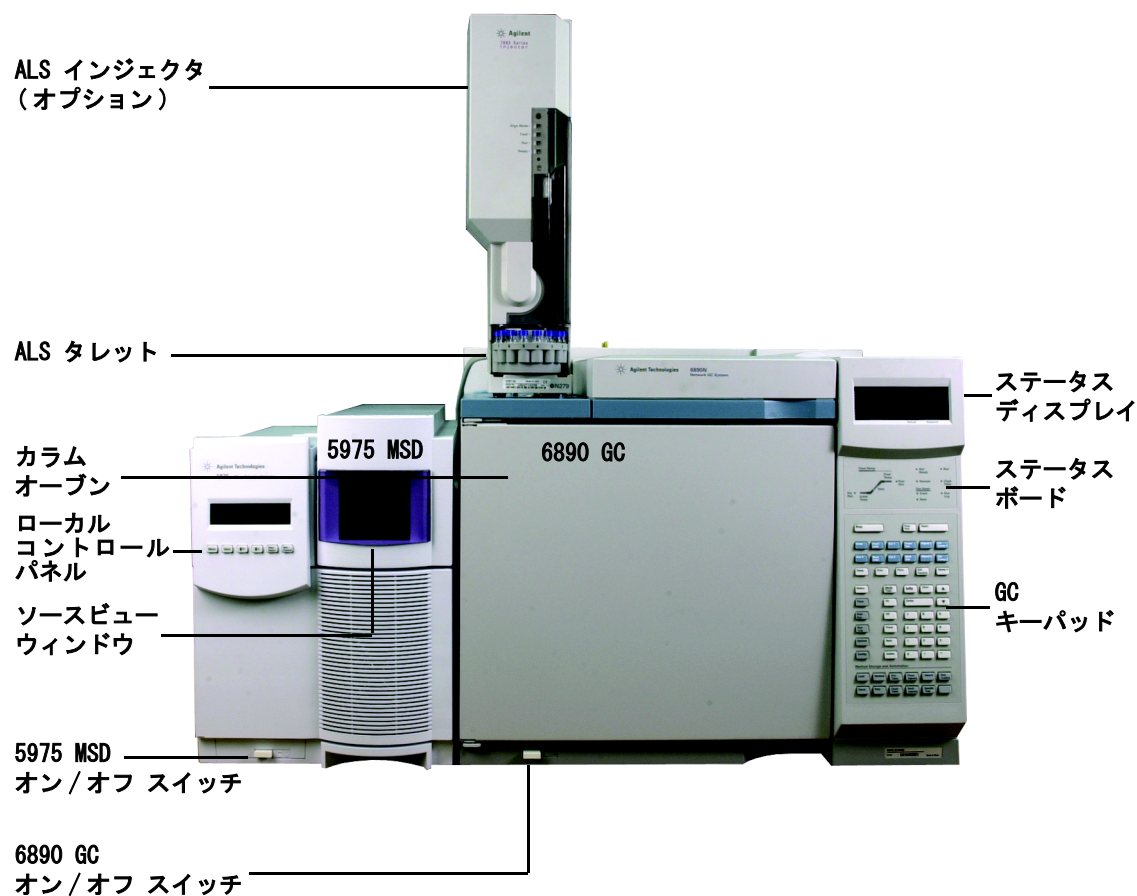
- 初期設定の後、「今すぐ Readme ファイルを表示しますか (Do you want to view the Readme file now)」とプロンプトが表示されたら [はい (Yes)] を選択する。
- [データ解析 (Data Analysis)] 画面または [機器コントロール (Instrument Control)] 画面で、[**ヘルプ (Help)/Readme ファイルの表示 (View Revisions Readme File)**] を選択する。

ポップアップウィンドウにテキストファイルが表示されます。必要に応じて、このテキストをスクロールしてオンラインで読んだり、電子的な検索やコピーをすることもできます。

必要な作業が終わったら [**ファイル (File)/ 終了 (Exit)**] を選択してアプリケーションに戻ります。

ハードウェア

5975 Series MSD/6890 GC

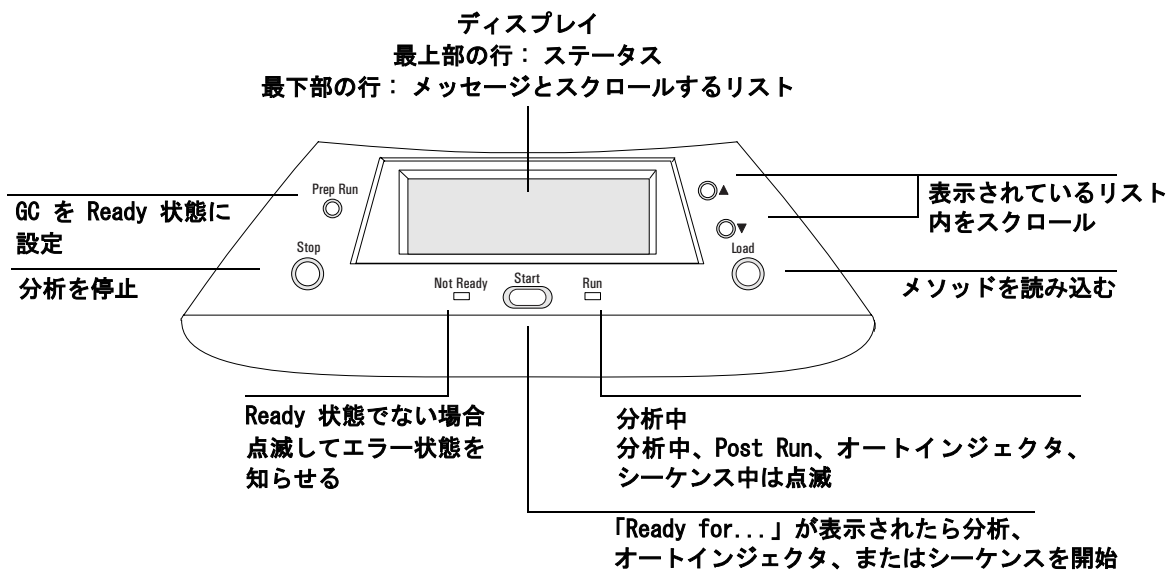


6850 GC のキーパッドとディスプレイ

GC/MSD ChemStation ソフトウェアは、6850 GC 用の機器コントロール機能を提供します。これにより、GC キーパッドの代わりにソフトウェアを使用して機器をプログラムすることができます。ただし、以下のような作業を素早く実行するためにキーパッドを使用する場合もあります。

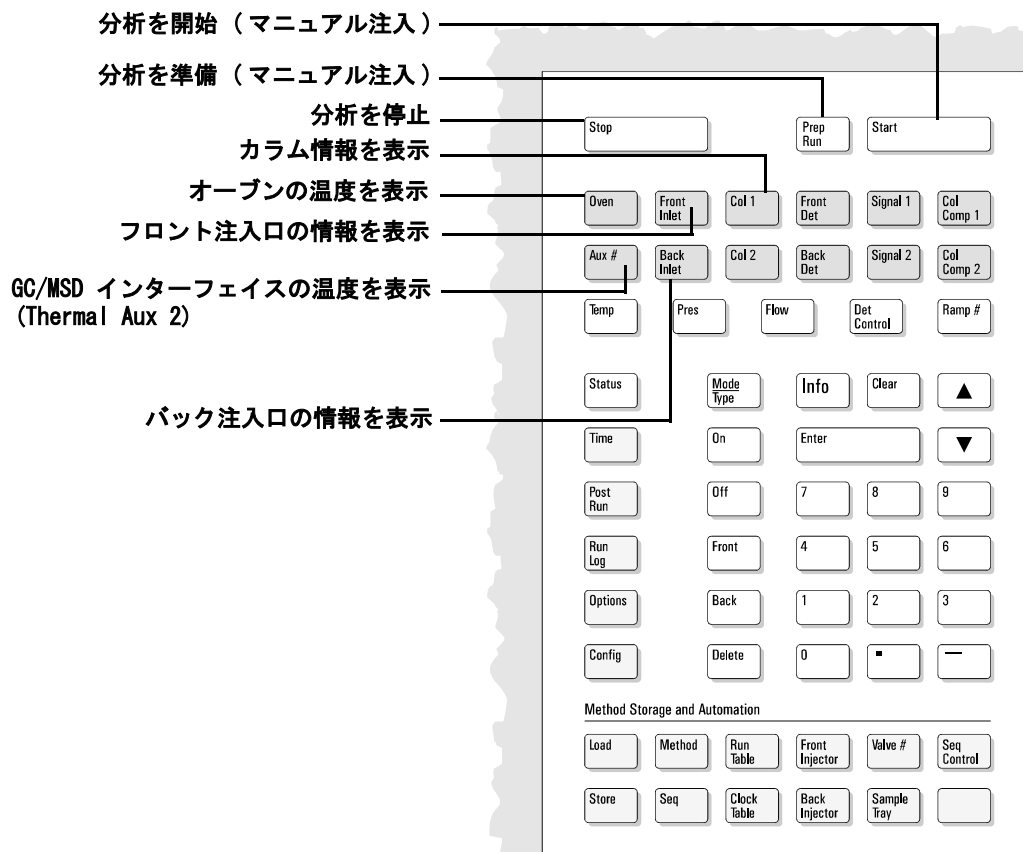
コントロールモジュールまたは GC/MSD ChemStation で行われた設定に応じて、分析中に、ディスプレイ画面がスクロールして以下を表示することがあります。

- オープンの温度
- 注入口の圧力
- カラム流量
- 検出シグナル
- メッセージ
- シーケンス情報
- 分析時間



6890 GC 用キーパッド

GC/MSD ChemStation ソフトウェアは、6890 GC 用の機器コントロール機能を提供します。これにより、GC キーパッドの代わりにソフトウェアを使用して機器をプログラムすることができます。ただし、以下のような作業を素早く実行するためにキーパッドを使用する場合があります。



ChemStation の画面

機器コントロール (Instrument Control) 画面

GC/MSD ChemStation を開始すると、[機器コントロール (Instrument Control)] 画面が表示されます。ここから、機器パラメータを設定してモニタします。別の画面が表示されている場合、データ取り込みの準備ができれば [表示 (View) / 機器コントロール (Instrument Control)] を選択します。

注記

ソフトウェアで使用するメニュー、ボタン、ウィンドウの詳細については、オンラインヘルプを参照してください。

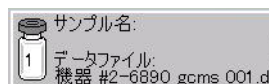


**ステータスインジケータ (Acquisition Status Indicator)**

現在の分析のステータスを表示します。

**分析時間 (Run Time)**

分析の残り時間を表示します。

**分析開始 (Start Run)**

分析準備のできているサンプル名とデータファイルを表示します。

**停止 (Stop)**

停止ボタンは、分析の進行中は赤、進行していないときは灰色です。プレラン、分析、ポストランの間、システムを停止するにはこのボタンを使用します。分析中の場合、システムはポストランに進みます。ポストラン中の場合、システムは待機状態になります。

**ログブック (Logbook)**

ログブックポップアップメニューを表示します。

**メンテナンス期限 (Maintenance Due)**

[Early maintenance feedback (EMF) 設定 (early maintenance feedback (EMF))] ダイアログボックスを反映します。

**印刷 (Print)**

シーケンスログ、現在のシーケンス、機器パラメータ、データ解析パラメータ、詳細データ分析パラメータなどの印刷可能項目が含まれるダイアログボックスを表示します。

**ヘルプ (Help)**

[機器コントロール (Instrument Control)] 画面のヘルプを表示し、他のヘルプシステムへもアクセスできるようにします。

**シーケンスの読み込み (Load Sequence)**

[シーケンス読み込み (Load Sequence)] ダイアログボックスを開きます。

**シーケンスの保存 (Save Sequence)**

[シーケンス保存 (Save Sequence)] ダイアログボックスを開きます。



シーケンスの実行 (Run Sequence)

[シーケンス開始 (Start Sequence)] ダイアログボックスを開きます。



シーケンスの編集 (Edit Sequence)

[サンプルログテーブル (Sample Log Table)] ダイアログボックスを開きます。



シーケンスのシミュレーション (Simulate Sequence)

シーケンスをテストします。



メソッドの読み込み (Load Method)

[メソッド読み込み (Load Method)] ダイアログボックスを開きます。



メソッドの保存 (Save Method)

現在のメソッドを保存します。



メソッドの実行 (Run Method)

[分析開始 (Start Run)] ダイアログボックスを開きます。



メソッドの編集 (Edit Method)

現在のメソッドを編集できます。



GC パラメータ (GC Parameters)

GC パラメータと GC モニタを編集できます。



MS パラメータ (MS Parameters)

MS パラメータと MS モニタを編集できます。



チューニングパラメータ (Tune Parameters)

MSD をチューニングできます。

[データ解析 (Data Analysis)] 画面

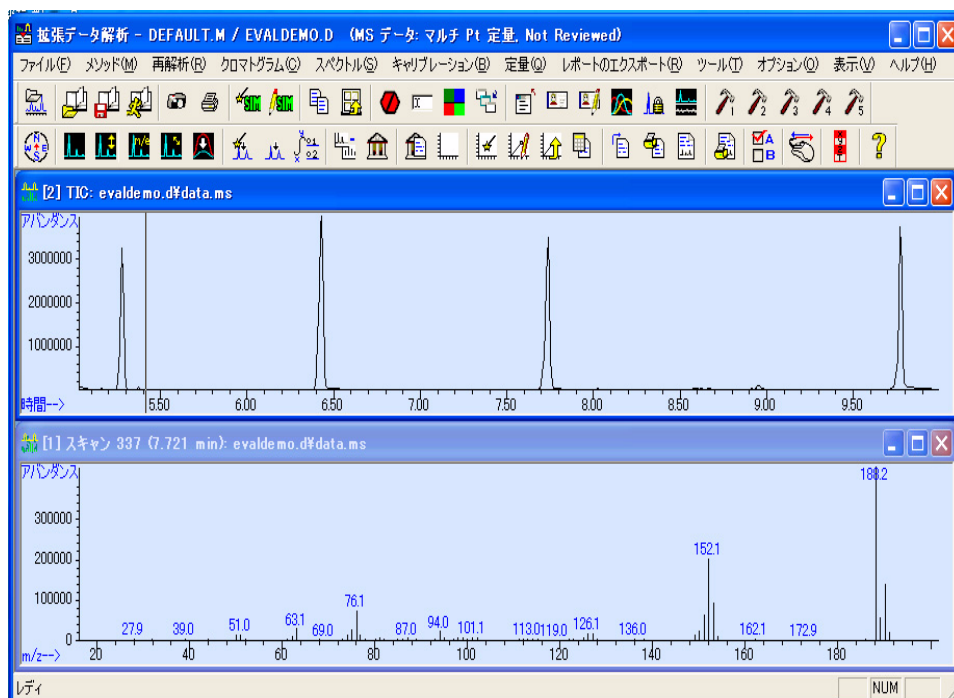
[Data Analysis (データ解析)] 画面は、データ解析セッションを開始するか、または [機器コントロール (Instrument Control)] 画面一から [表示 (View)/ データ解析 (Data Analysis)] (オフライン) を選択すると表示されます。[データ解析 (Data Analysis)] 画面を使用して以下のような作業を実行します。

- ・ 積分パラメータの設定
- ・ メソッドのキャリブレーション
- ・ データの定量
- ・ レポートのカスタマイズと印刷

[データ解析 (Data Analysis)] には、QEdit、スキャンをリストアップ (DOSCAN)、リスト処理 (DOLIST)、イーजी ID (EasyID)、ツールバーなど、さまざまな Productivity のツールがあります。また、定量を使用する際にはチュートリアルもあります。

注記

ソフトウェアで使用するメニュー、ボタン、ウィンドウの詳細については、オンラインヘルプを参照してください。



[データ解析 (Data Analysis)] ツールバーボタン



データファイルの読み込み

選択したデータファイル (.D) をロードし、そのファイルの全イオンクロマトグラム (TIC) を表示します。



メソッドの読み込み

ディレクトリツリーからメソッドファイル (*.M) を選択して読み込むことができます。



メソッドの保存 (Save Method)

現在のメソッドへの変更を保存します。



メソッドの実行 (Run Method)

現在のメソッドのデータ解析部分のみを実行します。印刷する出力ファイル名を選択する必要があります。この出力ファイルによって、文書の保管先となるファイル名が指定されます。文書は、印刷に使用したプログラムではなく、プリンタで読み取り可能な形式で保管されます。



スナップショット

スナップショットがアクティブになった時点までに取り込まれたデータを表示します。この機能は GC のみのデータには使用できません。



印刷 (Print)

選択したウィンドウ、TIC とスペクトル、または現在のメソッドを印刷できます。



AutoSIM メソッドの作成

[自動 SIM 設定 (AutoSIM Setup)] ダイアログボックスを開きます。



SIM パラメータの編集

SIM グループテーブル内の SIM パラメータを編集できます。



コピー (Copy)

選択したウィンドウをクリップボードにコピーできます。



ウィンドウのリセット (Reset Windows)

グラフィックウィンドウをデフォルトの位置に再配置します。

**中止 (Abort)**

コマンドまたはマクロを停止します。

**コマンドライン (Command Line)**

コマンド行の表示と非表示を切り替えます。

**色の設定 (Edit Colors)**

[データ解析 (Data Analysis)] のさまざまな表示項目の色を調整できます。

**グラフィックのアイコン化/元のサイズに戻す (Iconize/Restore Graphics)**

表示されているグラフィックウィンドウを最小化または最大化できます。

**スクリーンレポートを閉じる (Close Screen Reports)**

開かれている画面レポートをすべて閉じます。

**イージー ID (EasyID)**

既存の定量データベースに含まれている MS データの予想リテンションタイムとイオン比を化合物単位で更新できます。

**QEdit**

データファイルが定量されていれば、定量結果を確認および編集できます。

**ピーク純度 (Peak Purity)**

クロマトグラムのオーバーラップした複数のピーク（複数コンポーネントのピーク）を検出できるようにします（GC/MS のみ）。

**リテンションタイムロック (Retention Time Lock)**

リテンションタイムロック作業に使用する [RT ロック設定 (RTLock Setup)] 画面にアクセスします。

**S/N 比 (Signal-to-Noise)**

S/N チェックを実行してから、レポートを表示または印刷できます。

**CUSTOM TOOL 1**

お客様が作成したマクロを実行できます。最初にマクロを作成してから、CUSTOMTOOL1 と名前を付けます。オンラインヘルプの「マクロの使用法と作成方法 (Using and Writing Macros)」および「データ解析コマンド (Data Analysis Commands)」を参照してください。



CUSTOM TOOL 2

お客様が作成したマクロを実行できます。最初にマクロを作成してから、CUSTOMTOOL2 と名前を付けます。オンラインヘルプの「マクロの使用法と作成方法 (Using and Writing Macros)」および「データ解析コマンド (Data Analysis Commands)」を参照してください。



CUSTOM TOOL 3

お客様が作成したマクロを実行できます。最初にマクロを作成してから、CUSTOMTOOL3 と名前を付けます。オンラインヘルプの「マクロの使用法と作成方法 (Using and Writing Macros)」および「データ解析コマンド (Data Analysis Commands)」を参照してください。



CUSTOM TOOL 4

お客様が作成したマクロを実行できます。最初にマクロを作成してから、CUSTOMTOOL4 と名前を付けます。オンラインヘルプの「マクロの使用法と作成方法 (Using and Writing Macros)」および「データ解析コマンド (Data Analysis Commands)」を参照してください。



CUSTOM TOOL 5

お客様が作成したマクロを実行できます。最初にマクロを作成してから、CUSTOMTOOL5 と名前を付けます。オンラインヘルプの「マクロの使用法と作成方法 (Using and Writing Macros)」および「データ解析コマンド (Data Analysis Commands)」を参照してください。



ナビゲーションの表示 / 非表示 (Hide/Show Navigation)

アイコンをトグルして Explorer ペインの表示 / 非表示を切り替えます。



クロマトグラム再描画 (Draw Chromatogram)

現在のデータについて元のクロマトグラムをラベルや積分マークなしで再描画します。



クロマトグラムスケール調整 (Scale Chromatogram)

指定した倍率で選択したクロマトグラムを拡大縮小します。



イオンクロマトグラム (Ion Chromatograms)

現在のデータファイルのトータルイオンクロマトグラム (TIC) から抽出イオンクロマトグラム (EIC) を抽出して表示します (GC/MS のみ)。



イオンクロマト重ね描き (Merged Format)

複数の EIC を重ね描きして表示します (GC/MS のみ)。

**クロマトグラムの重ね描き (Overlay Chromatograms)**

複数のクロマトグラムを選択し、重ね合わせて表示できます。

**自動積分 (AutoIntegrate)**

現在のクロマトグラムについて最良の統合パラメータを見つけ、クロマトグラムを積分します。この操作は、RTE インテグレータがメソッドに設定されている場合は実行できません。

**積分 (Integrate)**

現在のインテグレータ用に設定されたパラメータを使用して現在のクロマトグラムを積分します。

**積分パラメータ (Integration Parameters)**

現在のインテグレータのパラメータまたはイベントを編集するためのダイアログボックスを開きます。

**減算 (Subtract)**

あるスペクトルを別のスペクトルから減算し、差を表示します。

**ライブラリの選択 (Select Library)**

[ライブラリ検索パラメータ (Library Search Parameters)] ダイアログボックスを表示し、現在選択されているスペクトルの PBM 検索に使用するライブラリを選択できるようにします。

**ライブラリ検索レポート (Library Search Report)**

現在の TIC を積分し、各ピークに一致するものがあるかどうか現在のライブラリを検索して、レポートを作成します。

**Quant のセットアップ (Set Up Quant)**

定量データベースをセットアップするために、定量データベースのグローバルを指定し、データベースに化合物を入力します。

**自動定量 (AutoQuant)**

定量データベースを作成するための半自動化された方法を提供します。

**化合物の編集 (Edit Compounds)**

定量データベースの情報を化合物単位で確認および編集できます。

**キャリブレーションの更新 (Update Calibration)**

現在の定量データベース内のキャリブレーションレベルを追加、削除、または更新できます。

**定量レポートの計算 (Calculate Quant Report)**

現在のファイルを定量し、定量レポートを生成します。

**定量レポートの生成 (Generate Quant Report)**

既に定量済みのファイルについて定量レポートを生成します。

**定量レポートの印刷 (Print Quant Report)**

定量レポートを印刷します。

**カスタムレポート (Custom Reports)**

Custom Reports ソフトウェアを開始します。メソッドに定量データベースがない場合、またはデータファイルが読み込まれていない場合、デフォルト値を使用できます。

**カスタムレポートの印刷 (Print Custom Report)**

現在のデータファイルを使用してメソッドで指定されたカスタムレポートテンプレートを印刷します。

**データ解析オプション (Data Analysis Options)**

[データ解析 (Data Analysis)] ダイアログボックスを開きます。

**データ解析マウス動作の切り替え (Switch Data Analysis Mouse Actions)**

マウスの右クリックで実行される機能を、一般的な動作と新しい右クリックメニューオプションの間で切り替えます。

**スタック (変数画面) の表示 / 非表示 (Show/Hide Stack (Variable Watch))**

スタック (変数画面) ウィンドウの表示 / 非表示を選択できます。

**オンラインヘルプ (Online Help)**

GC/MSD ChemStation のオンラインヘルプを表示します。

一般的な ChemStation の作業

MSD の真空排気（開始）

- 1 真空排気の前に、システムが以下の条件をすべて満たしていることを確認してください。
 - ☐ 排気バルブは閉じています（つまみが時計回りにいっぱいまで回されています）。
 - ☐ 他のすべての真空シールとフィッティングが取り付けられ、正しく締められています（サイドプレートのネジは固く締めないでください）。
 - ☐ MSD が接地された電源に接続されています。
 - ☐ GC/MSD インターフェイスが GC オープン内に引き込まれています。
 - ☐ コンディショニング済みのキャピラリカラムが GC 注入口と GC/MSD インターフェイスに取り付けられています。
 - ☐ GC はオンになっているが、GC/MSD インターフェイスの加熱部分、注入口、およびオープンはオフになっています。
 - ☐ 純度 99.999% 以上のキャリアガスが、推奨トラップを使用して GC に配管されています。
 - ☐ 水素をキャリアガスとして使用する場合、キャリアガスの流入がオフになっており、サイドプレートの前側のつまみねじが緩く締められています。
 - ☐ フォアラインポンプの排気が適切に換気されています。

警告

お使いの MSD が上記の条件すべてを満たすことを確認してください。満たしていないと、怪我につながる恐れがあります。

- 2 [表示 (View)/ チューニングと真空制御 (Tune and Vacuum Control)] を選択します。
- 3 [真空 (Vacuum)/ 真空排気 (Pump Down)] を選択します。
- 4 プロンプトが表示されたら、MSD のスイッチをオンにします。
- 5 サイドプレートを手で押してマニホールド側に閉じます。

- 6 [機器コントロール (Instrument Control)] メニューから以下の手順を実行します。
- 7 正しく密閉されていることを確認するために、サイドプレートを軽く押します。

フォアラインポンプがゴボゴボという音をたてます。この音は 1 分以内に止まるはずですが、音が止まらない場合、システム内、おそらサイドプレートのシール、インターフェイスカラムナット、または排気バルブに大量の空気漏れがあります。
- 8 PC との接続が確立されたら、[OK] をクリックします。10 分から 15 分以内に、ディフュージョンポンプが加熱するか、またはターボポンプが 80% まで加速します。ターボポンプは最終的に 95% 以上に達するはずですが。

注意

これらの条件が満たされない場合、フォアラインポンプが遮断されます。その場合は、MSD の電源をオン / オフします。MSD が正しく排気しない場合、空気漏れおよびその他の真空に関する問題のトラブルシューティングについてオンラインヘルプを参照してください。

- 9 プロンプトが表示されたら、GC/MSD インターフェイスヒーターと GC オープンをオンにします。終わったら [OK] をクリックします。ソフトウェアがイオン源と四重極ヒーターをオンにします。温度設定は現在のオートチューニングファイル (*.u) に保存されます。

注意

キャリアガスを流すまで、どの GC 加熱部分もオンにしないでください。キャリアガスの流入なしにカラムを加熱すると、カラムに損傷を与えます。

- 10 メッセージ「OK で実行します (Ok to run)」が表示されたら、MSD が熱平衡状態になるまで 2 時間待ちます。

注意

MSD が熱平衡状態になる前に取得したデータは再現できない場合があります。

注意

アンモニアなどの有毒ガスを使用する場合は、MSD のサイドプレートのネジを固く締めます。真空状態になる前にこれらのネジを固く締めると、シールが歪み、漏れが発生する可能性があります。

MSD のベント（停止）

- 1 5975 シリーズ MSD に真空ゲージコントローラが装備されている場合、[チューニングと真空排気 (Tune and Vacuum Control)] 画面から [**真空 (Vacuum)/ 真空ゲージのチューニングオン / オフ (Turn Vacuum Gauge on/off)**] を選択します。5973 シリーズ MSD については、外部イオンゲージコントローラがオフになっていることを確認します。
- 2 ゲージをオフにします。
- 3 5973 シリーズ CI MSD をベントする前に、[ガスオフ (Gas Off)] を押します。これにより、試薬ガスの流入がオフになり、アイソレーションバルブが閉じられます。

警告

5973 CI MSD では、MSD のベント中は Gas Off ライトが点灯していなければなりません。

- 4 [チューニングと真空制御 (Tune and Vacuum Control)] 画面から、[**真空 (Vacuum)**] メニュー / [**ベント (Vent)**] を選択します。表示された指示に従います。

警告

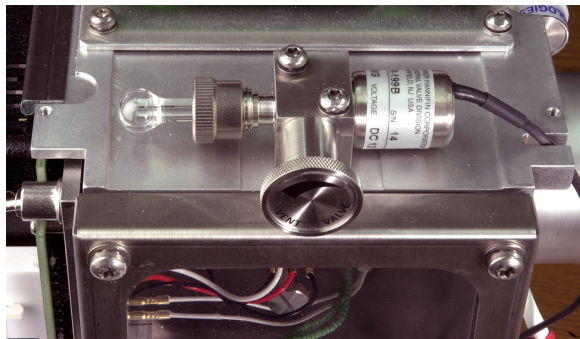
水素をキャリアガスとして使用している場合、MSD の電源をオフにする前にキャリアガスの流入をオフにしておく必要があります。フォアラインポンプがオフの場合、水素が MSD 内に蓄積し、爆発する危険性があります。水素の安全性に関するマニュアル (G3170-90010) を読んでから、水素キャリアガスで MSD を作動させてください。

注意

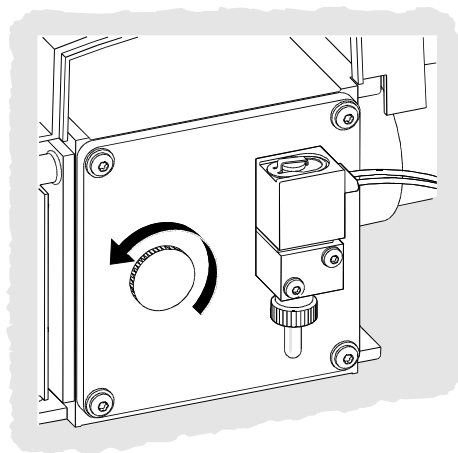
キャリアガスの流入をオフにする前に、必ず GC オープンと GC/MSD インターフェイスを冷却してください。

- 5 プロンプトが表示されたら、MSD の電源スイッチをオフにします。
- 6 MSD の電源コードを抜きます。
- 7 MS のカバー (5973 シリーズ)、またはフロントウィンドウのカバー (5975 シリーズ) を外します。

- 8 ベントバルブのつまみを反時計回りに 3/4 ほど回すか、または真空マニフォールド内に空気が流入するシューという音が聞こえるまで回します。



5975 ベントバルブ



5973 ベントバルブ

注意

つまみを回しすぎないでください。回しすぎると O リングが溝から外れることがあります。真空排気の前に、必ずつまみを締め直してください。

警告

アナライザに触る前に、アナライザを室温近くまで冷却します。

注意

真空マニフォールドに入れる部品を扱うときは、常に出荷キットに付属しているリントフリー手袋を着用してください。

MSD のチューニング

最適な性能を維持するために、MSD を定期的にチューニングする必要があります。チューニングとは、機器が一定の性能基準を満たすように MSD パラメータを調整するプロセスのことです。チューニングの頻度は、分析するサンプルの数と種類、ならびにシステムの全体的な状態によって決まります。

注記

MSD は、必ず同じ GC オープン温度とカラム流量で、データ取得に使用されるのと同じ MS 温度のもとでチューニングします。

チューニングレポートをノートに記録し、連続するレポートを簡単に比較できるようにします。

MSD をチューニングするには

[機器コントロール (Instrument Control)] 画面から以下の手順を実行します。

- 1 [**チューニングパラメータ (Tune Parameters)**] アイコン (ステップ 2 に挙げた最初の 2 つのメニューでのみ表示されます)、または [**表示 (View)/ チューニングと真空制御 (Tune and Vacuum Control)**] を選択します。



- 2 [**チューニング (Tune)**] メニューから、アプリケーションに要求される機器の性能に応じて以下のいずれかを選択します。
 - **MSD チューニング (Tune MSD)**
フルスキャン範囲全体で感度が最大になります。
 - **クイックチューニング (QuickTune)**
イオン比を変えずにピーク幅、質量数決定、およびアバんだンスを調整します。
 - **オートチューニング (Autotune) (Atune.U)**
フルスキャン範囲全体でレスポンスが最大になるようにチューニングします。
 - **低質量オートチューニング (Low Mass Autotune) (Lomass.U)**
低質量範囲をチューニングします。

- ❑ **標準スペクトルチューニング (Standard Spectra Tune) (Stune.U)**
フルスキャン範囲全体でレスポンスが標準になります。このオプションによって感度が低下する可能性があります。
- ❑ **DFTPP チューニング (DFTPP Tune) (DFTPP.U)**
EPA メソッド 625 に特化してチューニングします。
- ❑ **BFB チューニング (BFB Tune)(BFB.U)**
EPA メソッド 624 に特化してチューニングします。
- ❑ **チューニングウィザード (Tune Wizard) ...**
一連のダイアログボックスを表示して、アバンダンスを設定し、チューニング基準を調整できるようにします。目標のチューニングに使用されます。
- ❑ **エアおよび水分のチェック (Air and Water Check)**
PFTBA 質量 69 に対する、システムの空気（窒素 m/z 28）と水（ m/z 18）の相対的なレベルを標準化した測定値とレポートを生成します。この項目を使用して漏れがないかどうか確認します。存在量 m/z 28 は、 m/z 18 の存在量より小さくしなければならず、そのどちらもが m/z 69 の 5% 未満でなければなりません。
- ❑ **チューニング評価 (Tune Evaluation)**
現在のチューニングファイルの評価します。

3 チューニングレポートを確認します。

4 チューニング結果の履歴を表示するには、[ファイル(File)/チューニング表示(View Tunes)] を選択します。

マニュアルチューニングを使用するには

マニュアルチューニングにより、個別にレンズ電圧やチューニングマスなどの MSD パラメータを特定の分析目的に合った値に設定できます。マニュアルチューニングを使用すると、多くの場合オートチューニングよりも高い感度を得られます。

また、個別のパラメータを上昇させたり、上昇の範囲やステップ幅を指定したりすることができます。上昇の結果は視覚的に表示され、プロット上にパラメータの最適値がはっきりとマークされます。

マニュアルチューニングでは、2 種類のデータを取得できます。プロファイルスキャン（チューニングマスのアバンダンスとピーク時の形状をプロットします）およびスペクトルスキャン（質量範囲全体にわたってプロットレスポンスをスキャンします）です。

マニュアルチューニングの詳細については、オンラインヘルプを参照してください。

データの取り込み

MSD と一緒に使用するために GC をセットアップするには

[機器コントロール (Instrument Control)] 画面から以下の手順を実行します。

- 1 [機器 (Instrument)] メニューから、[**導入 / 注入のタイプ (Inlet/Injection Types)**] を選択します。適切なソースを選択し、[**MS の使用 (Use MS)**] チェックボックスを選択します。[OK] をクリックします。
- 2 [機器 (Instrument)] メニューから、[**GC パラメータの編集 (Edit GC Parameters)**] を選択します。
- 3 [Aux] をクリックします。Aux#2 を使用していること、ヒーターがオンになっていて必要な温度に設定されていること、および [タイプ (Type)] に *MSD* が選択されていることを確認します。
- 4 [**カラム (Columns)**] をクリックします。検出器が *MSD* であること、出口に [真空 (Vacuum)] が選択されていることを確認します。[OK] をクリックします。

オートサンプラを使用してサンプルを注入するには

[機器コントロール (Instrument Control)] 画面から以下の手順を実行します。

- 1 オートサンプラのトレイにサンプルが入ったサンプルバイアルを置きます。
- 2 **メソッド実行 (Run Method) アイコン** をクリックするか、[**メソッド (Method)/ メソッド実行 (Run Method)**] を選択します。
- 3 [分析開始 (Start Run)] ボックスが表示されたら、サンプル情報を以下のように指定します。
 - ☐ サンプル用に固有のデータパスを指定します。
 - ☐ サンプル用に固有のデータファイル名を指定します。
 - ☐ [**バイアル (Vial)**] フィールドに、サンプルバイアルの位置番号 (1 ~ 100) を入力します。
 - ☐ (オプション) この注入を文書化するために [**オペレータ名 (Operator Name)**]、[**サンプル名 (Sample Name)**]、および [**一般情報 (Misc Info)**] フィールドに入力します。
 - ☐ [データ測定 (Data Acquisition)] オプションが選択されていることを確認します。メソッドで指定したレポートを生成する場合は、[**データ解析 (Data Analysis)**] オプションを選択します。

注意

4 **[メソッド実行 (Run Method)]** をクリックして分析を開始します。オートサンプラを使用する場合、分析の開始に GC キーパッドの **[開始 (Start)]** を使用しないでください。

手動でサンプルを注入するには

[機器コントロール (Instrument Control)] 画面から以下の手順を実行します。

- 1 [機器 (Instrument)] メニューから、**[導入 / 注入のタイプ (Inlet/Injector Types)]** を選択します。
- 2 [導入 & 注入パラメータ (Inlet and Injection Parameters)] ダイアログボックスで、注入ソースとして **[マニュアル (Manual)]** を選択します。
- 3 GC キーパッドで **[プレラン (Prep Run)]** を押します。これによりガスセーバー機能が取り消され、注入口フローが設定値になり、スプリットベントバルブが閉じられます (スプリットレス注入のみ)。
- 4 **[メソッド (Method)/メソッド実行 (Run Method)]** を選択します。
- 5 メソッド実行ボックスが表示されたら、サンプル情報を以下のように指定します。
 - ☐ サンプル用に固有のデータパスを指定します。
 - ☐ サンプル用に固有のデータファイル名を指定します。
 - ☐ (オプション) この注入を文書化するために **[オペレーター名 (Operator Name)]**、**[サンプル名 (Sample Name)]**、および **[一般情報 (Misc Info)]** フィールドに入力します。
 - ☐ **[データ測定 (Data Acquisition)]** オプションが選択されていることを確認します。
 - ☐ (オプション) メソッドで指定した データ解析レポートのいずれかを作成する場合は、**[データ解析 (Data Analysis)]** オプションを選択します。
- 6 **[メソッド実行 (Run Method)]** をクリックして分析を開始します。温度が安定している場合は、**[注入準備 (Prepare To Inject)]** ボックスが表示されます。それ以外の場合は、メッセージ **「GC の準備待ち (Waiting for GC ready)」** が表示されます。

- 7 GC の温度が安定したら (6890 GC の場合: GC の Pre Run ライトが点灯、6850 GC の場合: Not Ready ライトがオフ)、サンプルを注入して GC の [開始 (Start)] を押します。

注意

GC が Ready 状態になるまで注入しないでください。分析結果が矛盾する原因となります。

メソッド全体を編集するには

[機器コントロール (Instrument Control)] 画面で、[メソッド (Method)/メソッド全体 (Edit Entire)] を選択します。[メソッド編集 (Edit Method)] ダイアログ ボックスでは、以下のような編集するメソッドの一部を選択できます。

- メソッド情報
- [機器 (Instrument)/測定 ・ 関連するすべての GC および MS (Acquisition ・ All relevant GC and MS)] ダイアログ ボックスが開き入力できます。
- データ分析

[OK] をクリックすると、選択したセクションのダイアログボックスが編集する順番に開きます。

メソッドを保存するかというかのプロンプトが表示されたら、必要に応じてそのメソッドに新しい名前を入力できます。カスタムレポートテンプレートがレポートタイプとして指定されている場合、生成されたレポートとデータファイルのコピーを保存するかどうかを尋ねるプロンプトが表示されます。

シーケンスをセットアップするには

サンプルのログテーブルは、シーケンスのセットアップに使用します。サンプルログテーブルに含まれる各行には、1 つのサンプル (1 つのバイアル、ALS) の分析情報が含まれます。

- 1 サンプルログテーブルがまだ開いていない場合、[シーケンス (Sequence)/シーケンスの編集 (Edit Sequence)] を選択するか、[機器コントロール (Instrument Control)][シーケンスの編集 (Edit Sequence)] をクリックします。
- 2 テーブル内の空白行をクリックします。次に [タイプ (Type)] というボックスの矢印をクリックして、実行するサンプルのタイプを選択します。

- 3 タブキーまたはマウスを使用して、[**バイアル (Vial)**] ボックスに移動し、バイアル番号を入力します。
- 4 [**メソッド (Method)**] に移動し、現行サンプルに使用するメソッド名を入力します（メソッドのリストでは、フィールドの [?] ボタンをクリックします）。
- 5 [**データファイル名 (Data File name)**]、[**サンプル名 (Sample name)**]、[**コメント (Comment)**]、[**バーコード (Expected Barcode)**] に値を入力します。
- 6 サンプルに適用するフィールドに移動します。

注記

表示されるフィールドは、選択したサンプルの [**タイプ (Type)**] によって異なります。

- 7 終わったら、[**OK**] をクリックします。

ほかのシーケンスを現行シーケンスに追加するには、[**シーケンス (Sequence)/ シーケンスオプション追加 (Additional Sequence Options)**]、[**シーケンスの追加 (Append sequence)**] の順に選択します。

MS データの解析

[**ナビゲーション (Navigation)**] パネルか、または データ解析画面から [**データファイル読み込み (Load Data File)**] を選択して、データファイルを読み込みます。

データファイルを解析するには

[**データ解析 (Data Analysis)**] でデータファイルを読み込みするには、以下の手順を実行します。

- 1 [**データファイル読み込み (Load Data File)**] アイコンを選択するか、[**ファイル (File)**] メニューから [**データファイル読み込み (Load Data File)**] を選択します。



- 2 データファイルを選択します（ファイル名をダブルクリックするか、ファイル名を入力して [**OK**] をクリックします）。データファイルのクロマトグラムが読み込まれて、ウィンドウ [2] に表示されます。

注意

このセクションの作業を実行する場合は、いずれもデータファイルを読み込む必要があります。

クロマトグラムを積分するには

- 1 使用するインテグレータが現在選択されていない場合、[クロマトグラム (Chromatogram)] メニューを開いて **[積分方式の選択 (Select Integrator)]** をクリックします。積分方法を選択し、**[OK]** をクリックします。
- 2 **[クロマトグラム (Chromatogram)/ 積分 (Integrate)]** を選択します。
- 3 (オプション) **[クロマトグラム (Chromatogram)/ 積分編集 (Integration Results)]** を選択します。表形式の結果レポートが画面上に表示されます。結果を確認したら、**[閉じる (Close)]** をクリックします。

スペクトルを選択するには**注記**

ウィンドウ [1] または [2] でマウスを右クリックするとメニューが表示される場合、**[データ解析マウスアクションの On/Off (Switch Data Analysis Mouse Actions)]** を使用して右クリックモードを切り替えることができます。

クロマトグラム上の目的とする場所で右マウスボタンをダブルクリックします。ウィンドウ [1] にスペクトルが表示されます。

ズームインするには

- 1 クロマトグラムまたはスペクトルで拡大したい領域のいずれかの隅にポインタを置きます。
- 2 左マウスボタンを押したままドラッグして、拡大する領域を選択します。
- 3 マウスボタンを放します。選択した領域が既存のウィンドウいっぱいには拡大されます。

ズームアウトするには

- 1 ズームされたウィンドウ内のいずれかの場所にマウスを置きます。
- 2 左マウスボタンをダブルクリックします。

スペクトルを平均するには

- 1 クロマトグラムの平均を取る範囲の開始時点にポインタを置きます。
- 2 右マウスボタンを押して、平均を取る範囲の終わりまでマウスをドラッグします。
- 3 マウスボタンを放します。選択した範囲内のスペクトルが平均され、結果のスペクトルがウィンドウ [1] に表示されます。

2 つのスペクトルを加算するには

- 1 スペクトルを選択します（クロマトグラム上で右マウスボタンをダブルクリックします）。
- 2 2 つ目のスペクトルを選択します（クロマトグラム上で右マウスボタンをダブルクリックします）。
- 3 **[スペクトル (Spectrum)/ 追加 (Add)]** を選択します。2 つのスペクトルが加算され、結果のスペクトルがウィンドウ [1] に表示されます。

2 つのスペクトルを減算するには

- 1 スペクトルを選択します（クロマトグラム上で右マウスボタンをダブルクリックします）。
- 2 差し引くスペクトルを選択します（クロマトグラム上で右マウスボタンをダブルクリックします）。
- 3 **[スペクトル (Spectrum)/ 減算 (Subtract)]** を選択します。

ステップ 2 で選択したスペクトルがステップ 1 で選択したスペクトルから差し引かれ、結果のスペクトルがウィンドウ [1] に表示されます。

バックグラウンドスペクトルを減算するには

- 1 データファイルから差し引くスペクトルまたはスペクトルの平均範囲を選択します。
- 2 **[ファイル (File)/ バックグラウンド減算 (Subtract Background) (BSB)]** を選択します。システムが以下の作業を実行します。
 - 選択したスペクトルが、現在のデータファイルの各スキャンから差し引かれます。
 - 差し引かれたデータは、データファイルと同じディレクトリにある BSB サブディレクトリに保管されます。

- 差し引かれたデータファイルが現在のデータファイルになり、ウィンドウ [2] に表示されます。

拡張メニューをオン / オフにする

[データ解析 (Data Analysis)] 画面で、[**オプション (Options)/ 拡張メニューの表示 (Show Extended Menus)**] を選択します。追加のメニュー項目が既存のドロップダウンリストに表示されます。

マクロメニューを表示するには

[データ解析 (Data Analysis)] 画面で、[**オプション (Options)/ マクロメニューの表示 (Show Macro Menus)**] を選択します。[**マクロメニュー (Macro Menus)**] で選択した内容は、メニューの選択バーに表示されます。

複数データファイル (Multiple Data Files) 画面をオンにするには

[データ解析 (Data Analysis)] 画面で、[**表示 (View)/ 複数データファイルの解析 (Analyze Multiple Data Files...)**] を選択します。選択すると、同時に最大 9 個のクロマトグラムを表示できます。標準の [データ分析 (Data Analysis)] 画面で、[**表示 (View)/ データ分析に戻る (Return to Data Analysis)**] を選択します。

複数スペクトル (Multiple Spectra) 画面をオンにするには

[データ解析 (Data Analysis)] 画面で、[**表示 (View)/ 複数スペクトルの解析 (Analyze Multiple Spectra...)**] を選択します。選択すると、同時に複数のスペクトルを表示できます。標準の画面に戻るには、[**表示 (View)/ データ分析に戻る (Return to Data Analysis)**] を選択します。

スペクトルライブラリの使用

ライブラリを選択するには

- 1 [データ解析 (Data Analysis)] で、[**スペクトル (Spectrum)/ ライブラリの選択 (Select Library)**] を選択します。
- 2 [**ライブラリ検索パラメータ (Library Search Parameters)**] ダイアログボックスで、第 1 行にライブラリの名前を入力します。

追加の検索ライブラリを 2 つまで入力できます。追加のライブラリが検索されるかどうかは、検出された化合物が指定した任意のヒット率を満たしているかどうかによって異なります。

ピークの積分と検索を行うには

以下の手順を使用して、トータルイオンクロマトグラムを積分し、検出されたピークごとに自動的にライブラリ検索レポートを作成します。

- 1 [データ解析 (Data Analysis)] で、データファイルを読み込みします。TIC が表示されます。
- 2 [スペクトル (Spectrum)/ ライブラリ検索レポート (Library Search Report)] を選択します。
- 3 [ライブラリ検索レポートオプション (Library Search Report Options)] ダイアログボックスが表示されたら、以下のようにライブラリ検索レポートのオプションを選択します。
 - [簡略 (Summary)] または [詳細 (Detailed)] を選択してレポートフォーマットを決定します。
 - 出力先を 1 つ以上選択します ([スクリーン (Screen)]、[プリンタ (Printer)]、および [ファイル (File)])。
 - [積分パラメータファイル (Integration Parameter File)] を選択します (GC/MSD ChemStation インテグレータを使用して自動積分するには、フィールドをブランクのままにします)。
 - 各ピークからどのスペクトルを使用するかを選択します (頂点 (Apex)、頂点 - ピークの開始点 (Apex - Start of Peak)、頂点 - 指定バックグラウンド (Apex - Background at time)、または平均ピーク (Peak Average))。
- 4 [OK] をクリックして検索を開始します。

クロマトグラムが積分され、各ピークからのスペクトルが検索されます。積分の結果が画面上に表示されます。ライブラリ検索レポートが、[ステップ 3](#) で選択された出力先に送られます。
- 5 表形式の統合結果を表示するには、[クロマトグラム (Chromatogram)/ 積分結果 (Integration Results)] を選択します。

1 つのスペクトルを検索するには

- 1 [データ解析 (Data Analysis)] で、データファイルを読み込みします。
- 2 **スペクトル**を選択します。
- 3 スペクトルを含むウィンドウ内で右マウスボタンをダブルクリックします。

注記

ウィンドウ [1] または [2] でマウスを右クリックするとメニューが表示される場合、[**データ解析マウス操作の切り替え (Switch Data Analysis Mouse Actions)**] を使用して右クリックモードを切り替えることができます。

検索が終了すると、検索結果が画面上に表示されます。未知のスペクトル、検索結果のリストから選択した参照スペクトル、さらに、可能な場合は参照化合物の化学構造が表示されます。

- 4 その他のスペクトルデータを表示するには、以下の手順を実行します。
 - 異なる参照スペクトルを表示するには、検索結果リストから別の化合物をクリックします。
 - 未知のスペクトルと参照スペクトルの差異を表示するには、[**差 (Difference)**] チェックボックスを選択します。
- 5 その他の情報を表示するには、以下の手順を実行します。
 - リスト内の各検索結果の品質に関する情報を表示するには、[**統計 (Statistics)**] をクリックします。
 - 現在の参照スペクトルのライブラリに保管されているヘッダ情報を表示するには、[**テキスト (Text)**] をクリックします。
- 6 表示されているスペクトルを印刷するには、[**印刷 (Print)**] をクリックします。
- 7 ライブラリ検索結果を画面からクリアするには、[**完了 (Done)**] をクリックします。

リテンションタイムロッキングの使用

リテンションタイムロッキング (RTL) は、特定のメソッドの特性 (カラム、流量設定、オープンパラメータ) を評価する手順です。カラムに対する変更は通常リテンションタイムに影響を与えるため、これをすべて打ち消すようにします。この手順では、

現在のメソッド設定を中心としたさまざまな注入口圧力（-20%、-10%、公称、+10%、+20%）で（望ましいリテンションタイムがわかっている）化合物データを取り込みます。その結果、5 つの分析が評価され、特定の機器の特性を示す圧力 / リテンションタイム曲線が作成されます。その曲線から、望ましい時間に化合物を溶出させる予想圧力が計算され、メソッドにその注入口圧力が実行できるように保存されます。

MS メソッドをロックするには

- 1 [機器コントロール (Instrument Control)] から、ロックするメソッドを読み込みします。必要ならば、メソッドパラメータを編集します。
- 2 ALS 注入については、バイアルをポジション 1 に置きます。
- 3 [メソッド (Method)/RT ロックキャリブレーションデータ取込 (Acquire RTLock Calibration Data)] を選択します。これにより、RTL キャリブレーションファイルの取り込みが開始されます。
- 4 -20%、-10%、+10%、+20% のキャリブレーション範囲について仮注入圧が評価され、自動的に 5 つの分析が作成されます。プロンプトで 5 回の分析が行われることが通知されます。また前のキャリブレーションデータが存在する場合は、それについても警告されます。5 つのデータファイルは RTLOCK フォルダの下にあるメソッドディレクトリに、RTLOCK1 ~ RTLOCK5 のデータファイル名で保管されます。
- 5 データ取り込みに続いて、データ解析の新しいセッションが開始され、仮注入圧での分析 (RTLOCK3.D) が読み込まれます。RTL キャリブレーション計算に使用するピークを選択します（右マウスボタンをクリックしてドラッグします）。
- 6 選択したピークのスペクトルが表示されます。ソフトウェアに残りの 4 回の分析からロックする化合物のピークを自動的に検出させるには、[はい (Yes)] をクリックします。これでソフトウェアが、スペクトルの比較と曲線の当てはめ判定を実行できるようになりました。選択した 5 つのピークが表示されます。
- 7 曲線方程式（リテンションタイムと圧力の比較に基づく）が表示され、続行するかどうかを確認されます。[はい (Yes)] をクリックします。
- 8 次に、使用するロックリテンションタイムを入力して、[OK] をクリックします。

- 9 [はい (Yes)] をクリックして、ロック圧力情報をメソッドに保存します。使用したいロックする化合物名を入力して、[OK] をクリックします。
- 10 ここで、キャリブレーションデータファイル (RTLOCK1.D ~ RTLOCK5.D) を削除するかどうかを選択できます。[はい (Yes)] または [いいえ (No)] を選択します。これでメソッドがロックされました。

ロックされたメソッドを機器コントロールで読み込んだ場合は、常に、メソッドがロックされていることと、ロックにどの化合物が使用されたかがタイトルバーに表示されます。圧力（オンライン機器のみ）はロックされた圧力に設定されます。

注記

ロックされたメソッドが実行されると、GC キーパッドまたは [機器コントロール (Instrument Control)] から圧力を変更していても、ロックされた圧力値に変更されます。

メンテナンススケジュール

詳細なメンテナンス作業については、システムに付属するハードウェアマニュアルに説明されています。システムメンテナンス実行の頻度はシステムによって異なります。メンテナンス記録を付けてください。

毎日

- ☐ セプタムをチェックし、必要ならば交換します。
- ☐ 注入口ライナーが締まっているかどうかチェックします。
- ☐ カラムナットが締まっているかどうかチェックします。

毎週

- ☐ フォアラインポンプのオイルレベルをチェックします。
- ☐ 注入口ライナーと O-リングを交換します。

毎月

- ☐ スプリット/スプリットレス注入口ベントライントラップを交換します。
- ☐ 漏れがないかどうかチェックします（注入口、カラムインターフェイス）。

3 か月ごと

- ☐ ガスポンペを交換します (500 psig 未満の場合)。

6 か月ごと

- ☐ フォアラインポンプのオイルを交換します。
- ☐ キャリブレーションバイアルをチェックし、必要ならば補充します。

毎年

- ☐ ディフュージョンポンプのオイルをチェックし、必要ならば交換します。
- ☐ GC の内部および外部トラップとケミカルフィルタを再生または交換します。

随時

- ☐ MSD をチューニングします。
- ☐ イオン源をクリーニングします。
- ☐ キャリアガストラップを交換します。
- ☐ 消耗した部品 (フィラメント、EM など) を交換します。
- ☐ カラムを交換します。
- ☐ シールをグリースアップします。

安全上の注意事項

警告

MSD に付属するマニュアルで特に指示されない限り、MSD をオンにした状態または MSD を電源に接続した状態でメンテナンスを行わないでください。

MSD がオフになっていても、GC/MSD インターフェイスがオンになり、危険なほど高温に達することがあります。オフになった後、GC/MSD インターフェイスが冷却されるまで時間がかかります。必ずすべての部品が冷却されてから扱ってください。

GC の背後で作業するときは注意してください。オープンの冷却中、高温の排気が放出され、やけどの原因となる恐れがあります。

有毒な化学物質を分析したり、有毒な溶剤を使用している場合は、ホースを使用してポンプの排気を試験室の外に誘導してください。標準のフォアラインポンプに付属のオイルトラップが阻止できるのは、フォアラインポンプオイルのみです。有毒な化学物質をトラップしたり、濾過したりすることはできません。

ポンプのオイルを交換するときは、耐薬液手袋と保護めがねを着用します。決してオイルに触れないようにしてください。

注入口、検出機器、バルブボックス、および断熱カップの周辺の断熱材には耐熱セラミック繊維（RCF）が使用されています。RCF の粒子を吸い込まないようにしてください。作業場所を換気し、長袖、手袋、保護めがね、および使い捨てマスクを着用してください。断熱材はビニール袋に入れ、密閉して廃棄します。RCF を扱ったら、石けんと冷水で手を洗ってください。

操作上のヒント

- 定期的にデータとメソッドをバックアップします。
- 使用するチューニングファイルがサンプルに適したものであることを確認します。
- 後で参照できるようにチューニングレポートをノートに記録します。
- GC および MSD のハードウェアマニュアルに指示されているメンテナンススケジュールに従ってシステムメンテナンスを実行します。実行したメンテナンスすべての記録を保存しておきます。
- MSD をベントしているときには、冷却された GC を利用して注入口ライナーやセプタム等の交換などのメンテナンスを行います。
- 真空排気の後、MSD が熱平衡状態になるまで少なくとも 2 時間待ってから、チューニングまたはデータ取得を行います。
- 最適な感度は、一般的に 1.2 mL/min 以下のカラム流量のときに得られます。
- 1 マイクロリットルを超える量を注入するときは、パルススプリットレスモードを使用して、オープンの初期温度を 10 ~ 20 °C 上昇させます。
- スプリットレス注入では、パルスドスプリットレスモードによって、より定量的なサンプルがカラムに送られます。パルス圧力は、注入口の初期圧力の 2 倍が一般的です。
- **コンスタントフロー (Constant Flow) モード**を選択すると、多くの場合最も効果的な分離が得られます。
- 新しいカラムについては、使用を始めてから数回オープンの温度が上下した後、カラムナットが緩んでいないかどうかをチェックします。
- 6890 GC キーパッドの [ステータスの設定 (Config Status)] キーを使用して、最も重要な 3 つの表示項目を設定します (残り時間 (**time remaining**)、オープン温度 (**oven temp**) など)。これらの項目は、GC/MSD ChemStation のどの画面が最前面にあっても常に表示されています。

- オートサンブラ洗浄ボトルを洗い流して補充します。途中で残っているボトルに溶剤を追加しないでください。
- SIM や スキャン取込みモードを使用する際のガイドとして以下の表を使用します。

作業**モード**

未知化合物との混合物を分析する。

スキャン、または
SIM スキャン

未知量である既知化合物との混合物を
分析する（定量）。

スキャン、または
SIM、または
SIM スキャン

混合物内に低レベルで含まれるいくつ
かの既知化合物の存在を確認する。

SIM

- SIM の質量を選択するとき、スペクトル表示に注記されている公称質量ではなく、表形式のレポートに印刷されたものと同じ質量を使用します。これにより、より正確なデータが得られます。
- SIM 分析を行うときには、1 つの amu の比率を他とは区別して判定するのでない限り、低分解能モードを使用します。低分解能により、感度と再現性が最大になります。
- スキャン範囲は、適正なライブラリ検索結果を得られるだけの範囲に選択します。これにより、ピーク全体でスペクトルが増え、よりよい定量結果が得られます。

エラーメッセージとトラブルシューティング

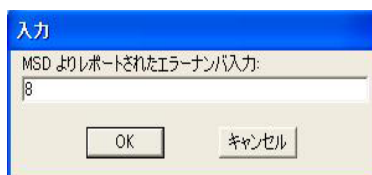
エラーメッセージ

MSD で発生した問題によって GC/MSD ChemStation ソフトウェアにエラーメッセージが表示される場合があります。一部のエラーメッセージはチューニング時にのみ表示されます。他のメッセージは、チューニングまたは機器のコントロール時に表示されます。

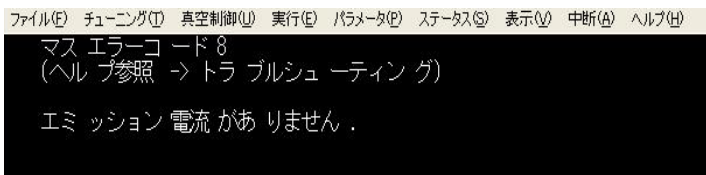
メッセージの代わりに番号のみが表示される場合もあります。この番号は 1 つ以上のエラーメッセージを表す場合があります。

番号をエラーメッセージに解釈するには、以下の手順を実行します。

- 1 番号をメモします。
- 2 [機器コントロール (Instrument Control)] で、[表示 (View)/チューニングと真空制御 (Tune and Vacuum Control)] を選択します。
- 3 [ステータス (Status)/MS エラーコード (MS Error Codes)] を選択します。
- 4 表示されたボックス内にエラー番号を入力し、[OK] をクリックします。



対応するエラー内容（複数の場合もあり）が表示されます。



トラブルシューティングのヒント

MSD LAN エラー

MSD はオンになっていますが、「Server not found! Check LAN connection (サーバーが見つかりません。LAN 接続を確認してください)」というステータスが点滅しています。

MSD を最初にオンにしたときであれば、これは正常な状態です。GC/MSD ChemStation がまだ MSD との接続を確立していないことを意味します。真空排気が開始した後も依然として表示されている場合、以下の原因が考えられます。

- ・ 一時的な電源障害により通信が中断されたとき。
- ・ MSD と、GC/MSD ChemStation、Agilent Bootp 設定、スイッチ / ハブとの間の接続が不良である場合。
- ・ LAN 用の Agilent Bootp 設定に MSD の MAC アドレスと IP アドレスが正しく設定されていない場合。

ベースラインの上昇

- ・ カラムブリード
- ・ その他の汚染

フォアラインまたは真空マニホールドの圧力が高過ぎる場合

- ・ カラム流量が多過ぎる
- ・ 空気漏れ
- ・ ディフュージョンポンプのオイルレベルが低過ぎる
- ・ ディフュージョンポンプのオイルが汚染されている
- ・ フォアラインポンプのオイルレベルが低過ぎる
- ・ フォアラインポンプオイルの汚染
- ・ フォアラインホースの狭窄（これにより真空マニホールド圧力は極端に上昇するがフォアライン圧力は極端に低下する）

質量スペクトルの高バックグラウンド

- 空気漏れ
- フォアラインまたは真空マニホールドの圧力が高過ぎる
- その他の汚染

m/z 18、28、32、44 のイオン

- 検出機器が十分に真空排気されていない（空気と水の残留）
- 空気漏れ

アイソトープの欠落またはアイソトープ比の不正

- チューニングが狂っている
- イオン源の汚染
- 高バックグラウンド
- EM の電圧が高過ぎる
- リペラー電圧が高過ぎる
- スキャン速度が高い（スキャンモード）
- ドウエルタイムが短い（SIM モード）
- ピークの幅が広すぎる、または狭過ぎる
- リペラーとイオンフォーカスのリード線が逆になっている

ピークがない

- サンプル濃度の誤り
- 分析対象が存在しない
- シリンジがない、または正しく取り付けられていない（ALS のみ）
- サンプルバイアルが空
- スプリットレスモードではなくスプリットモードでの注入

ピークテーリング

- ・ サンプルパスに活性点がある
- ・ 注入量が多過ぎる
- ・ 注入口の温度が低過ぎる
- ・ カラム流量が少な過ぎる
- ・ GC/MSD インターフェイスまたはイオン源の温度が低過ぎる

ピークトップが平ら

- ・ 溶媒待ち時間が短過ぎる
- ・ 表示倍率が誤っている
- ・ 注入量が多過ぎる
- ・ EM の電圧が高過ぎる

ピークトップが分割

- ・ 注入方法の誤り
- ・ 注入量が多過ぎる

ピーク幅に一貫性がない

- ・ チューニングが狂っている
- ・ キャリブレーションハイヤルに PFTBA がない
- ・ キャリブレーションバルブの障害
- ・ イオン源の汚染
- ・ EM の劣化
- ・ MSD が熱平衡に達するだけの時間が十分に経っていない
- ・ 試験室温度の変動幅が大きい

再現性が悪い

- シリンジニードルの汚れ
- 注入口からの漏れ
- 注入口ライナーと注入量の不一致
- カラムインターフェイスの緩み
- 圧力、カラム流量、温度の変動
- イオン源の汚染
- アナライザのインターフェイスの緩み
- グランドアースが取られていない

感度が悪い

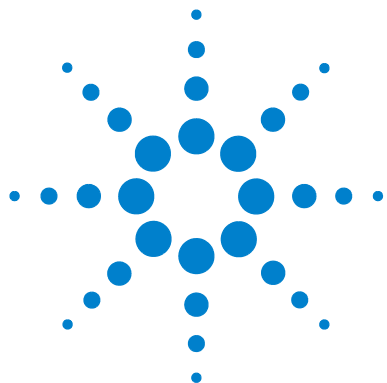
- チューニングが狂っている
- チューニングファイルが分析のタイプに合っていない
- 温度の誤り
- サンプル濃度の誤り
- 注入口からの漏れ
- スプリット比の誤り
- スプリットレスモードでのスプリットレス時間が短すぎる
- MSD 内の圧力が高過ぎる
- イオン源の汚染
- 空気漏れ
- 検出器が正常に作動していない
- フィラメントが十分に動作していない
- マスフィルタの極性が正しくない

リテンションタイム (RT) のドリフト

- カラムが短くなった (RT の短縮)
- カラムが古い (RT の短縮)
- サンプル流量経路に活性点がある (RT の延長)

- カラム流量が減少 (RT の延長)
- 注入口からの漏れ (RT の延長)
- オープンの初期温度が変更された (上昇 = RT の短縮、下降 = RT の延長)

詳細については、オンラインヘルプの「MSD のトラブルシューティング」セクションを参照してください。



2

定量を理解する

定量	56
この章の内容	56
はじめに	56
GC/MSD ChemStation における定量の仕組み	56
定量データベース	59
はじめに	59
マニュアルで定量データベースをセットアップする方法	61
自動定量設定 (AutoQuant Setup) の仕組み	66
チュートリアル – 自動定量設定 (AutoQuant Setup) の使用方法	67
自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用した定量データベースの作成	68



定量

この章の内容

この章では、定量データベースを作成するための基本的な手順の流れを説明します。これは、このソフトウェアに習熟するための第一歩となります。

慣れてきたら、この章の最後にあるチュートリアルをやってみてください。それから、独自のデータファイルをもとに定量データベースを作成してみるとよいでしょう。この機能とその仕組みの詳細については、オンラインヘルプを参照してください。

はじめに

定量とは何をするものですか

定量とは、サンプルのなかに含まれる化合物の量を同定することです。

定量はいつ行うのですか

定量は、サンプル分析の最後の部分（化合物の同定後）に実行します。

定量はどのように行うのですか

定量は、化合物の未知の量からのレスポンス（分析から抽出したデータ）を計測された量からのレスポンス（定量データベースに保管されている）と比較して行います。

定量データベースについては、このマニュアルで後述します。

GC/MSD ChemStation における定量の仕組み

以降に、ChemStation がどのようにしてサンプルに含まれる化合物の量を測定するかを、きわめて一般的な用語を使って説明します。定量は 2 つの部分からなるプロセスです。

パート 1 — データ取得

プロセスの最初の部分では、データ取得が行われます。以下に概要を説明します。

GC/MSD で未知のサンプルを分析すると、GC 内でサンプルが加熱され、加圧され、個々の化合物に分離されて、最後に検出機器を通過します。これらすべては、指定したメソッドに従って行われます。

検出器は、各化合物のパターンを確認します。続いて ChemStation がそのパターンを、メソッドに関連付けられたライブラリに登録されている既知のパターンと比較します。一致するものがあれば、ChemStation によりレポートされます。

したがって、サンプルから検出されたいずれかの化合物のパターンが、メソッドで設定されたライブラリに登録されている xxx のパターンと一致した場合、ChemStation はサンプルで xxx が検出されたことをレポートできます。

メソッドのデータ取込条件の作成はきわめて専門的なプロセスであり、このマニュアルの範囲を超えています。メソッド作成の詳細については、オンラインヘルプを参照してください。

この章の最後にあるチュートリアルでは、自動定量設定 (AutoQuant Setup) の仕組みを説明するために、ChemStation に付属しているデフォルトのメソッド、デモ用データファイル、およびデモ用スペクトルライブラリを使用します。

パート 2 — データ定量

プロセスの 2 番目の部分では、サンプル内に含まれる化合物の量を求めます。これが、プロセスのデータ定量部分であり、67 ページの「[チュートリアル — 自動定量設定 \(AutoQuant Setup\) の使用方法](#)」に詳細が説明されています。以下に、概要を説明します。

サンプル内に含まれる化合物の量を測定するためには、ChemStation が検出したもの (xxx の未知の量) と xxx の既知の量の比率を求めて答えを出せるように、この 2 つを比較できなければなりません。

ここで定量データベースが必要になります。

ライブラリには既知の化合物のパターンが保管されていますが、定量データベースには、これに加えて以下のような追加の詳細が保存されています。

- 特定の量（たとえば 10 ppb）における化合物のレスポンス
- 化合物のターゲットイオン
- ターゲットイオンのクオリファイアイオン

したがって、ソフトウェアが化合物を（ライブラリと比較して）同定した後、さらに未知のサンプル内で検出された機器レスポンスを、定量データベースにリストされているレスポンスと比較することで、その量を定義することができます。

たとえば、定量データベース内のエントリが 10 ppb を表し、サンプル内から検出された量がその量の 2 倍である場合、20 ppb となります。

注記

この説明では、プロセスを極端に簡略化しています。また、この説明はデータ取込とデータ定量の全般的な概念を伝えるためのものであり、具体的な方法とまったく同じというわけではありません。

定量データベースのセットアップについては、67 ページの「チュートリアル – 自動定量設定 (AutoQuant Setup) の使用方法」を参照してください。

定量データベース

はじめに

定量データベースとは何ですか

定量データベースは、探している各化合物に関連する詳細情報をリストします。

定量データベースに必要なデータとはどのようなものですか

定量する各化合物について、定量データベースには以下のデータが含まれている必要があります。

- 以下の詳細を含め、探している化合物を同定する 1 つのエントリ
 - リテンションタイム
 - 定量パラメータ
 - 同定のための選択基準
 - クオリファイアイオン比を計算するためのメソッド
 - 相対的レスポンスの許容範囲
 - 化合物のキャリブレーションデータに適用される相関係数
 - 検量線で使用するデータポイント
- 探している化合物内のターゲットイオン（通常は基準ピークイオン）を同定するための 1 つのエントリ
- 化合物の存在をさらに確認するためのクオリファイアイオンの複数のエントリ（たとえば、これらのイオンは常に化合物のピークイオンとともに、常に同じ比率で出現する）
- 使用する内部標準

難しいことのように思えますが、自動定量設定 (AutoQuant Setup) では、これらのイオンを自動的に同定できます。この仕組みの詳細については、64 ページの「[自動定量 \(AutoQuant\) を使用して定量データベースをセットアップする方法](#)」を参照してください。

定量データベースのサイズはどのくらいですか。

1 つの化合物を定量するために、定量データベースには少なくとも以下の 3 つのエントリが必要です。

- 化合物の基準ピークイオン
- そのピークイオンの存在を確認する、追加の 2 つのクオリファイイオン

多くのお客様が追加のオプションエントリとして内部標準を選択しています。

定量データベースのサイズは、定量するターゲット化合物の数と検量線に定義するデータポイントの数に応じて拡大します。

どうすれば定量データベースを作成できますか

定量データベースに化合物を追加するには、以下の 2 つの方法があります。

- マニュアル
- 自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用した半自動化

以降に概要を説明します。

マニュアルで定量データベースをセットアップする方法

このセクションでは、定量データベースをマニュアルでセットアップする際の手順について概要を説明します。

定量データベースをマニュアルで作成するには、クロマトグラムを目視で選択し、当該の各化合物、ターゲットイオン、クオリファイアオンを個別に選択してから、名前を付けて定量データベースに保存する必要があります（これは 62 ページの「[マニュアルで定量データベースをセットアップする方法の概要](#)」ステップ 2 ～ 8 に該当します）。

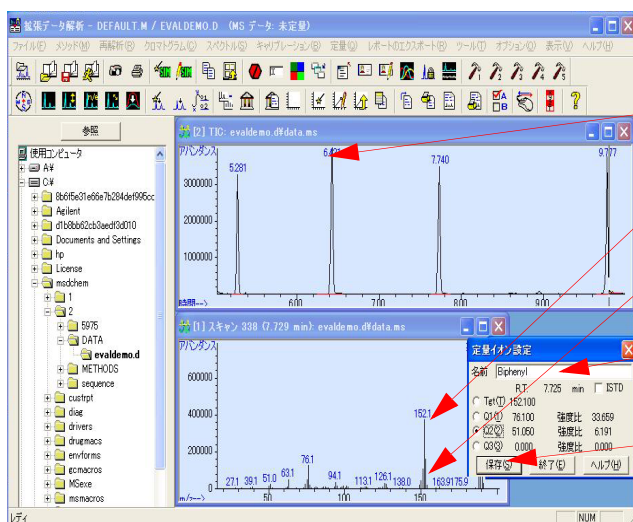
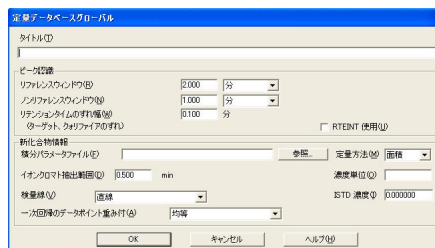
定量データベースのマニュアルセットアップの説明に続いて、自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用した定量データベースのセットアップ方法に関するセクションがあります。自動定量設定 (AutoQuant Setup) は、半自動化されたプロセスであり、ソフトウェアがクロマトグラムを確認し、指定したアバンダンスとライブラリに基づいて化合物、ターゲットイオン、クオリファイアオンを選択します。

これに関しても、以降の 2 つのセクションでは概要情報のみを説明しています。自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用した定量データベースのセットアップに関する詳細な手順については、67 ページの「[チュートリアル – 自動定量設定 \(AutoQuant Setup\) の使用方法](#)」を参照してください。

マニュアルで定量データベースをセットアップする方法の概要

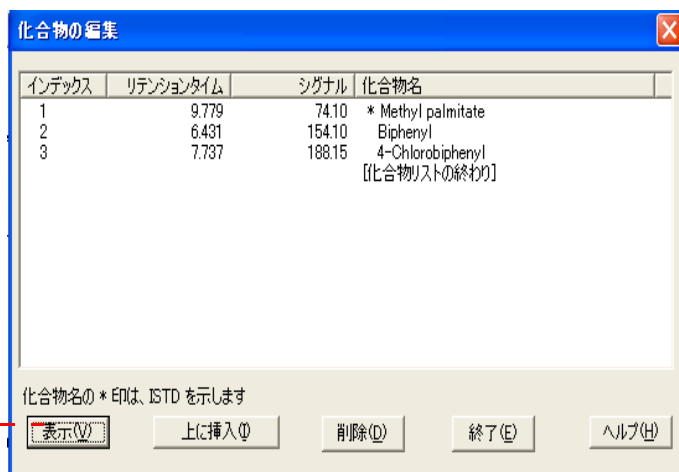
定量データベースをマニュアルでセットアップするには、以下の手順に従います。

- 1 グローバル定量 (Quantitation Globals) ページで、キャリブレーションしたい化合物標準を含むファイルを読み出します。それから、定量データベースにリストするすべての化合物の一般情報を入力します。終わったら [OK] をクリックします ([グローバル定量データベース (Quantitation Database Globals)] ページにアクセスするには、[キャリブレーション (Calibrate)/ 定量データベース設定 (Set Up Quantitation...)] を選択します)。

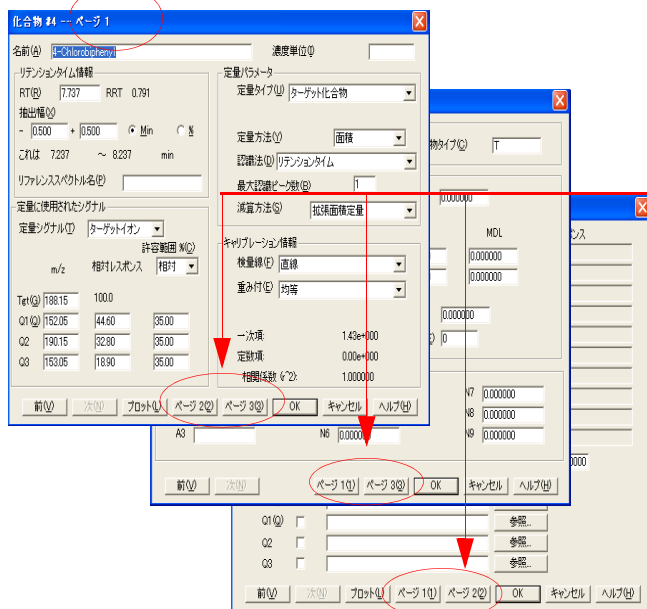


- 2 測定済みサンプルデータのクロマトグラムをマニュアルで確認します。
- 3 各化合物を、そのクロマトピークをクリックして個別に選択します。
- 4 表示されたスペクトルからターゲットイオンを選択します。
- 5 この化合物のクオリファイアイオンを選択します。
- 6 化合物に名前を付け、この化合物が内部標準に含まれている場合は、それを示すチェックボックスをマークします。
- 7 この化合物のスペクトルプロファイルを定量データベースに保存します。
- 8 定量データベースに追加する各化合物について、ステップ 2 ~ 7 を必要に応じて繰り返します。

- 9 必要な化合物をすべて追加したら、[**キャリブレーション (Calibrate)** / **化合物編集 (Edit Compound...)**] を選択して定量データベースに作成したエン트리全体のリストを ([**化合物編集 (Edit Compounds)**] 画面上に) 表示します。



- 10 [**化合物編集 (Edit Compounds)**] 画面から、化合物を選択して [**表示 (View)**] をクリックすると、その化合物について保存されているデータの最初のページが表示されます。各化合物について 3 ページの情報があり、定量データベースレコードのページ 1、2、および 3 として保管されています。



3 つの画面を切り替えるには、該当するページボタンを使用します。

スペクトル情報と [**グローバル (Globals)**] 画面で入力した情報はこれらのページに転送されます。

処理を終了するには、定量データベースの各エン트리について、個々の化合物画面 (ページ 1、2、3) をそれぞれマニュアルで更新します。

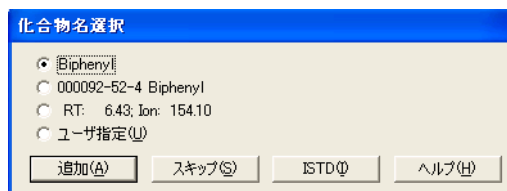
自動定量 (AutoQuant) を使用して定量データベースを セットアップする方法

マニュアル処理では、クロマトグラムをマニュアルで確認し、定量データベースに登録するにはそれぞれの化合物とイオンを個別に選択し、名前を付けて保存する必要があります。一方、自動定量設定 (AutoQuant Setup) は半自動化された処理であり、ソフトウェアがデータファイルを確認し、指定したアンバンダンスとライブラリに基づいて、自動的に化合物、ターゲットイオン、およびクオリファイアイオンを同定します。

自動定量 (AutoQuant) を使用して定量データベースを セットアップする方法の概要

自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用して定量データベースを作成するには、以下の手順に従います。

- 1 最初のステップは、マニュアルによる定量データベースのセットアップの場合と同じです。詳細については、62 ページの「[マニュアルで定量データベースをセットアップする方法の概要](#)」を参照してください。
- 2 化合物とイオンのマニュアル選択に関する、マニュアル処理のステップ 2 ~ 8 です。ただし、自動定量 (AutoQuant) を使用する場合、これらのステップは以下のように自動化されます。[**データベース グローバル (Database Globals)**] 画面での作業を終了して、[**OK**] をクリックすると ([ステップ 1](#))、ソフトウェアが自動的にデータファイルにある関連するピークの検索を開始します。検出した各ピークについて、データが指定したライブラリと比較され、以下のような画面に化合物が表示されます。



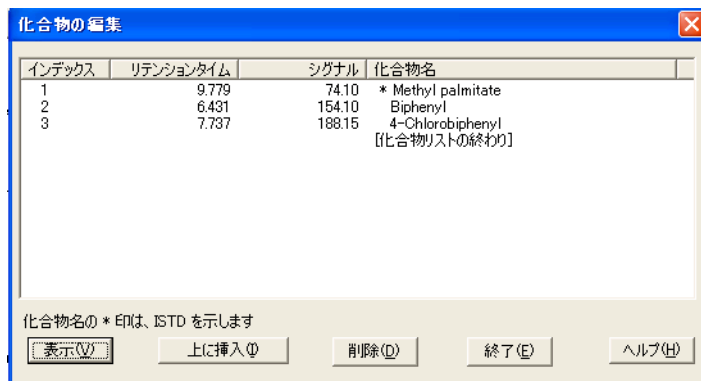
この画面から以下の操作を実行できます。

- 追加 (Add)** この化合物、そのターゲットイオン、および 3 つのクオリファイアイオン を定量データベースに追加します。
- スキップ (Skip)** データファイル内で検出された次の化合物を表示します。
- ISTD** この化合物を定量データベースに追加し、内部標準として同定します。

注記

ISTD はエントリリスト内で化合物などよりも前になければなりません。また、アスタリスクで示されます。

- 3 データファイル内で検出されたすべての化合物が表示されると、「**今すぐ定量しますか (Do you want to Quantitate Now?)**」とプロンプトが表示されます。[**はい (Yes)**] を選択すると、キャリブレーション画面、続いて [**化合物編集 (Edit Compound)**] 画面が表示されて、最終的な定量データベースを確認することができます (これはマニュアル処理の **ステップ 9** に相当します)。



[**化合物編集 (Edit Compounds)**] 画面から、化合物を選択して [**表示 (View)**] をクリックすると、マニュアル処理の **ステップ 10** の説明とまったく同じように、その化合物に対して保存されたデータの 1 ページ目が表示されます。

自動定量設定 (AutoQuant Setup) の仕組み

自動定量設定 (AutoQuant Setup) は、指定したスペクトルライブラリを使用してデータファイル内の化合物を同定し、その化合物内のアバンダンスに基づいて、各化合物のターゲットイオンとクオリファイイオンを選択します。選択内容をお客様が確認すると、自動定量設定 (AutoQuant Setup) は自動的に定量データベース内に必要なエントリを作成します。

前提条件： 自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用するためには、ターゲット化合物を含むライブラリがなければなりません。また、キャリブレーション標準には、同時溶出する化合物を含めることはできません。

チュートリアル – 自動定量設定 (AutoQuant Setup) の使用方法

このチュートリアルでは、自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用して定量データベースを作成する手順の流れを説明します。この演習は、AutoQuant Setup を使用すると定量データベースをいかに短時間で作成できるかを具体的に示すことを目的としています。所要時間は約 5 分です。

この演習では、ビフェニル、クロロビフェニル、およびメチルパルミテートの同定と定量が可能な定量データベースを含むメソッドを作成します。

このために、以下の手順を実行します。

- 1 ChemStation 内のデフォルトのメソッド **DEFAULT.M** を読み込みます。
- 2 ChemStation 内のデモ用データファイル **EVALDEMO.D** を読み込みます。
- 3 ChemStation 内のデモ用スペクトライブラリ **DEMO.L** を読み込みします。
- 4 自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用して、以下の化合物を含む定量データベースを作成します。
 - ドデカン
 - ビフェニル
 - クロロビフェニル
 - メチルパルミテート

作成されたメソッドと定量データベースでは、ビフェニル、クロロビフェニル、およびメチルパルミテートの同定と定量が可能になります。

自動定量設定 (AutoQuant Setup) を使用した定量データベースの作成

- 1 **DEFAULT.M** と **EVALDEMO.D** をチュートリアルで使用する前に、それぞれコピーをとっておきます。
- 2 [データ解析 (Data Analysis)] で、以下の 2 つのファイルを読み込みます。

デモ用メソッド **C:\MSDCHEM\1\METHODS\DEFAULT.M**

デモ用データファイル **C:\MSDCHEM\1\DATA\EVALDEMO.D**

これを実行して独自の定量データベースを作成すると、このデモデータファイルはキャリブレーションされます。

- 3 [スペクトル (Spectrum)/ ライブラリ選択 (Select Library)] を選択するか、アイコンをクリックします。



DEMO.L を選択します。

ライブラリ 検索パラメータ

検索順	ライブラリ名	参照...	次のライブラリを検索する 一致率の下限
1(1)	DEMO.L	参照...	0
2(2)		参照...	0
3(3)		参照...	

OK キャンセル ヘルプ(?)

- 4 [キャリブレーション (Calibrate)/自動定量設定 (AutoQuant Setup)]
を選択するか、アイコンをクリックします。



キャリブレーション(B)	定量(Q)	レポートのエクスポ...
定量データベース設定(S)...		
自動定量設定(A)		
ターゲット化合物を半定量化合物に変換します		
新しい半定量化合物のレスポンスを作成...		
化合物編集(E)...		
化合物の順番の並び替え...		
メソッド情報をリスト(L)...		
更新(U)...		
検量線印刷...		
消去(C)...		

- 5 [グローバル定量データベース (Quantitation Database Globals)]
ダイアログボックスが表示されたら、表示されたデフォルト情報（前に表示した内容から取り込まれる）を確認します。必要ならば、この情報をメソッドに合わせて修正します。

この画面は「グローバル」と呼ばれます。ここに表示されている情報はすべての化合物について共通であり、定量データベースに追加する各化合物に対して自動的に反映されます。

- 6 このチュートリアルでは、[**グローバル定量データベース (Quantitation Database Globals)**] ダイアログボックスが表示され、以下を入力します。
- a [**タイトル (Calibration Title)**] フィールドに **AutoQuant Tutorial** と入力します。この行は、各定量レポートのタイトルに表示されます。
 - b RTE インテグレータを使用するには、[**RTEINT 使用 (Use RTEINT)**] ボックスをチェックします。
 - c [**OK**] をクリックします。

定量データベースグローバル

タイトル(T)

ピーク認識

リファレンスウィンドウ(R) 分

ノンリファレンスウィンドウ(N) 分

リテンションタイムのずれ幅(W) (ターゲット、コリファイアのずれ) 分 ☐ RTEINT 使用(U)

新化合物情報

積分パラメータファイル(F) 参照... 定量方法(M)

イオンクロマト抽出範囲(Q) min 濃度単位(Q)

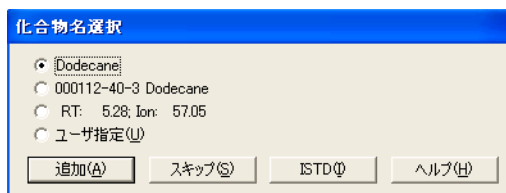
検量線(V) ISTD 濃度(Q)

一次回帰のデータポイント重み付(A)

OK キャンセル ヘルプ(H)

[**OK**] をクリックすると、ソフトウェアはデータファイル内にある関連するピークの検索を開始します。最初のピークを検出すると、指定されたライブラリと比較し ([ステップ 3](#))、ライブラリで見つかった最初の化合物の名前を表示します。各化合物が表示されるので、その化合物が必要かどうかを判断します。

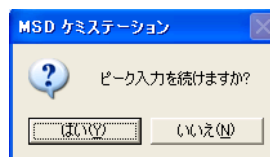
- 7 この場合、見つかった最初の化合物はドデカンです。この化合物に対する処理として、以下の 3 つがあります。



- 追加 (Add)** この化合物、そのターゲットイオン、および 3 つのクオリファイイオンを定量データベースに追加します。
- スキップ (Skip)** データファイル内で検出された次の化合物を表示します。
- ISTD** この化合物を定量データベースに追加し、内部標準として同定します。

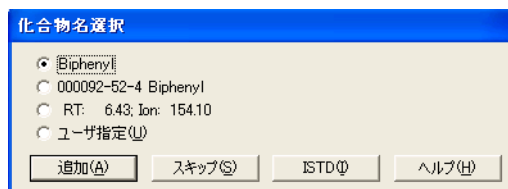
ドデカンについて **[化合物名選択 (Choose Compound Name)]** ダイアログボックスが表示されたら、**[スキップ (Skip)]** をクリックします。デモの目的上、ここではこの化合物をスキップします。後でこの処理を再実行し、これを定量データベースに追加します。

[ピーク登録を続けますか ? (Continue peak entry?)] ボックスが表示されたら、**[はい (Yes)]** をクリックします。

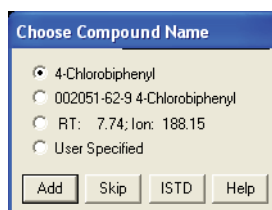


([No (いいえ)]) をここでクリックすると、**ステップ 11** のように **[定量しますか ? (Quantitate now?)]** ダイアログボックスが表示されます。

- 8 ビフェニルが次に表示されます（ サンプル内でドデカンの後に溶出したため）。デフォルト名のままにして、[**追加 (Add)**] をクリックし、この化合物を定量データベースに追加します。

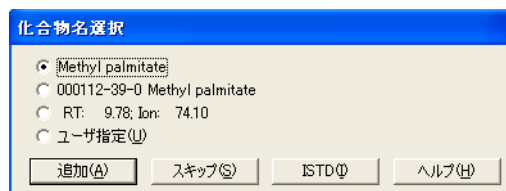


- 9 4-クロロビフェニルが次に表示されます。デフォルト名のままにして、[**追加 (Add)**] をクリックします。



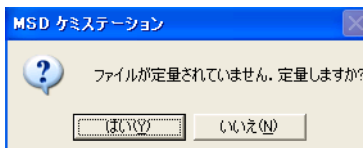
- 10 メチルパルミテートが次に表示されます。

これを内部標準として指定するために、**ISTD** をクリックします。このデモでは、これを内部標準として同定します。内部標準とは、標準ファクタとして利用するために各サンプルに注入する化合物のことで、比較の基準となります。



ISTD をクリックすると、この化合物が定量データベースに追加され、定量データベース内の化合物リストの最上位に配置されます。すべての化合物が内部標準に対して相対的に定量されるように、定量データベース内では化合物よりも内部標準が前になければならないため、これはきわめて重要です。

- 11 [**定量しますか ? (Quantitate now?)**] というプロンプトが表示されたら、[**はい (Yes)**] をクリックします。



ファイルが定量されたら、[**キャリブレーションの更新 (Update Calibration)**] ダイアログボックスが表示されます。

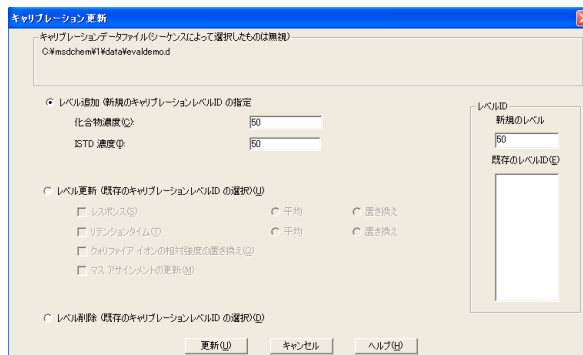
- 12 [**レベルの追加 (Add Level)**] (新規キャリブレーション ID の入力) を選択し、以下を入力します。

[**新規レベル ID (New Level ID)**] = 50
これは説明用のラベルとしてのみ使用されます。

[**化合物の濃度 (Compound Concentration)**] = 50
化合物の濃度。

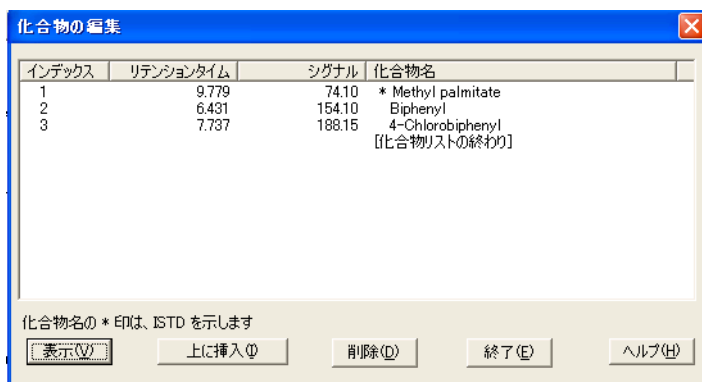
[**ISTD 濃度 (ISTD Concentration)**] = 50
内部標準の濃度。

続いて、[**更新の実行 (Do Update)**] をクリックします。



13 [化合物編集 (Edit Compounds)] ボックスが次に表示され、定量データベース内にある化合物全体のリストが表示されます。以下の点に注意してください。

- メチルパルミテート（内部標準として同定した化合物）は、（グループの他の 2 つの化合物よりも後に溶出したにもかかわらず）リストの最上位に移動し、名前にアスタリスク（*）がついています。
- アスタリスク（*）は、内部標準であることを示します。
- 内部標準は、参照元となる化合物よりも前にある必要があります。その点以外では、定量データベース内での順序は重要ではありません。



14 これで単一レベルの定量データベースのエントリが作成されました。

リストから化合物を選択し、[表示 (View)] をクリックしてページ 1 と 2 で化合物のパラメータを調べます。[OK] または [キャンセル (Cancel)] をクリックして、[化合物編集 (Edit Compounds)] ボックスに戻ります。

15 ダイアログボックスを閉じるには、[終了 (Exit)] をクリックします。

化合物 #4 --- ページ 1

名前(A) 4-Chlorobiphenyl

濃度単位(U)

リテンションタイム情報

RT(Q) 7.737 RRT 0.791

抽出幅(Q)

- 0.500 + 0.500 Min 0.500

これは 7.237 ~ 8.237 min

リファレンスペクトル名(Q)

定量に使用されたシグナル

定量シグナル(I) ターゲットイオン

許容範囲 % (C)

m/z 相対レスポンス 相対

Tet(Q) 188.15 100.0

Q1(Q) 152.05 44.60 35.00

Q2 190.15 32.80 35.00

Q3 153.05 18.90 35.00

前(V) 次(V) プロット(V) ページ 2(Q) ページ 1(Q)

定量パラメータ

定量タイプ(U) ターゲット化合物

定量方法(U) 面積

化合物 #4: 4-Chlorobiphenyl (ページ 2)

スペシャル化合物

CAS # (Q)

化合物タイプ(C) T

スペシャルレポートパラメータ

サロゲートアmount(Q) 0.000000 マトリックス スパイク アmount(Q) 0.000000

低 高 % Dev MDL

マトリックス A(濃度)(M) 0.000000 0.000000 0.000000 0.000000

マトリックス B(濃度)(I) 0.000000 0.000000 0.000000 0.000000

シグナルレベル 最小(Q) 0.000000

MS データベース名(Q)

ユーザー定義アイテム(U)

A1 N4 0.000000

A2 N5 0.000000

A3 N6 0.000000

前(V) 次(V) ページ 1(Q) ページ 2(Q)

化合物 #4: 4-Chlorobiphenyl (ページ 3)

レベル ID 濃度(C) レスポンス

50 50000000 18794920.890

レベル ID 濃度 レスポンス

面積補正マス(M) 0.00 補正ファクター(F) 0.000000

加算? 積分パラメータファイル

Tet(I) 参照

Q1(Q) 参照

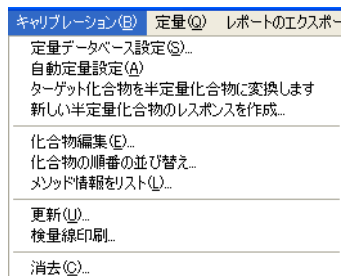
Q2 参照

Q3 参照

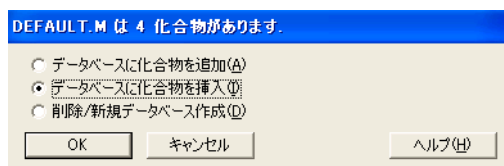
前(V) 次(V) プロット(V) ページ 1(Q) ページ 2(Q) OK キャンセル ヘルプ(H)

- 16 ここで元に戻り、**ステップ 7**でスキップした化合物を追加します。

この化合物を定量データベースに挿入するには、まず [**キャリブレーション (Calibrate)** / **自動定量設定 (AutoQuant Setup)**] を選択するか、アイコンをクリックします。



- 17 [**データベースに化合物を挿入 (Insert Compounds in Database)**] を選択して、[**OK**] をクリックします。



- 18 [グローバル定量データベース (Quantitation Database Globals)]
ダイアログボックスが表示されたら、パラメータを変更しないでください。

定量データベースグローバル

タイトル(T)

ピーク認識

リファレンスウィンドウ(R) 分

ノンリファレンスウィンドウ(N) 分

リテンションタイムのずれ幅(W) 分

(ターゲット、クオリファイのずれ) ☐ RTEINT 使用(U)

新化合物情報

積分パラメータファイル(F) 参照... 定量方法(M) 面積

イオンクロマト抽出範囲(Q) min 濃度単位(U)

検量線(L) ISTD 濃度(Q)

一回帰のデータポイント重み付(W)

OK キャンセル ヘルプ(H)

[OK] をクリックします。ソフトウェアが、サンプルのピークを同定する処理を再び開始します。

[化合物名選択 (Choose Compound Name)] ダイアログボックスが表示されます。

- 19 ダイアログボックスにドデカンが表示されたら、デフォルト名のままにして [追加 (Add)] をクリックします。

化合物名選択

☒ Dodecane

☐ 000112-40-3 Dodecane

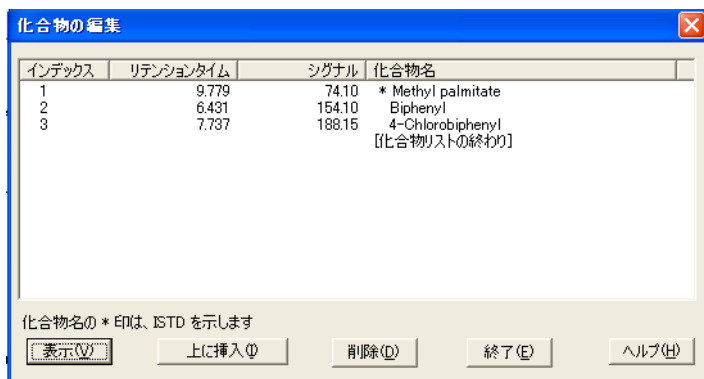
☐ RT: 5.28; Ion: 57.05

☐ ユーザ指定(U)

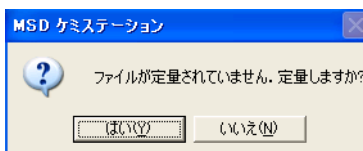
追加(A) スキップ(S) ISTD(I) ヘルプ(H)

[化合物編集 (Edit Compounds)] ボックスが表示されます。

- 20 ビフェニルを選択し、[**上に挿入 (Insert Above)**] をクリックして、挿入ポイントを選択します。



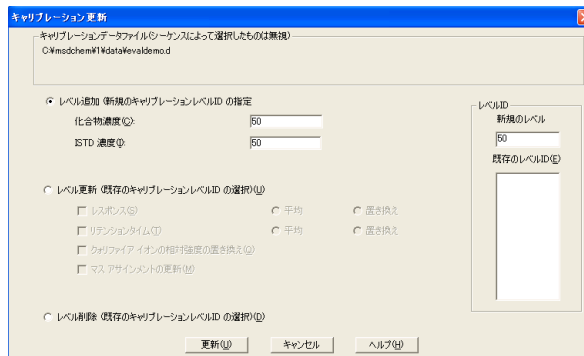
- 21 残りの化合物について、[**化合物選択 (Choose Compounds)**] ボックスが表示されます。データファイルにある残りの 3 つの化合物のそれぞれについて、化合物名を選択するように要求されたら [**スキップ (Skip)**] をクリックし、[**ピーク入力を持続しますか? (Continue Peak Entry)**] に対して [**はい (Yes)**] をクリックします。
- 22 データベースを定量するかどうか確認されたら、[**はい (Yes)**] をクリックします。



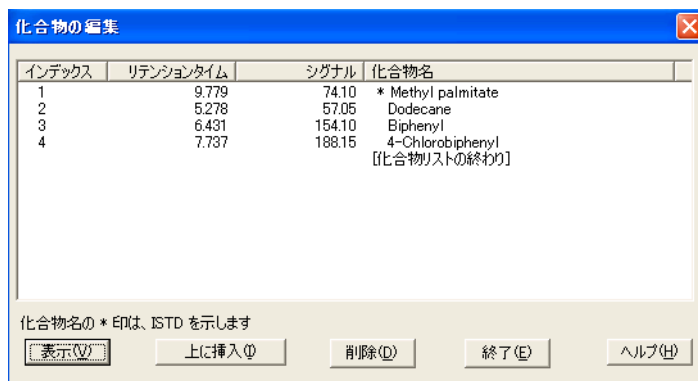
- 23 [**キャリブレーションの更新 (Update Calibration)**] ダイアログボックスが表示されたら、[**レスポンス (Responses)**] フィールドと [**リテンションタイム (Retention Times)**] フィールドに (ドロップダウンリストから) [**再校正 (Recalibrate)**]、[**置換 (Replace)**] を選択します。

再校正 (Recalibrate) により、指定されたレベル ID について、すべての機器レスポンス値とリテンションタイムが、ロードされたデータファイル内で検出された値で更新されます。化合物に対して指定したその他のすべてのエントリが戻されます。

[更新の実行 (Do Update)] をクリックします。



24 [化合物編集 (Edit Compounds)] ボックスが表示されたら、[表示 (View)] をクリックし、ページ 3 で、定量データベースにある 4 つの化合物のそれぞれについて調べます。



追加したばかりのドデカンには、濃度値がないことに注意してください。

定量を理解する

他の化合物のページ 3 を見るには、[戻る (Prev)] または [次へ (Next)] をクリックします。他の化合物は、濃度に値 50 が設定されています。

これは、このレベルが最初に作成されたときに（ステップ 12）、グローバルに入力されたものです。

化合物 #2: Dodecane (ページ 3)

レベル ID	濃度 (C)	レスポンス	レベル ID	濃度	レスポンス
50		937443.980			

面積補正マス (M): 0.00 補正ファクター (F): 0.000000

加算? 積分パラメータファイル

Tot (T) 参照

Q1 (Q) ☐ 参照

Q2 ☐ 参照

Q3 ☐ 参照

前 (P) 次 (N) プロット (V) ページ 1 (1) ページ 2 (2) OK キャンセル ヘルプ (H)

- 25** レベル 50 について、Concentration フィールドに **50** と入力します。**[OK]** をクリックし、**[はい (Yes)]** をクリックして変更内容を保存します。

化合物 #2: Dodecane (ページ 3)

レベル ID	濃度 (%)	レスポンス	レベル ID	濃度	レスポンス
50	50	9737443.980			

面積補正マス(M): 0.00 補正ファクター(F): 0.000000

加算? 積分パラメータファイル

Tet(1)	☐		参照...
Q1(Q)	☐		参照...
Q2	☐		参照...
Q3	☐		参照...

前(V) 次(N) プロット(L) ページ 1(I) ページ 2(Q) キャンセル ヘルプ(H)

化合物 #1: Methyl palmitate (ページ 3)

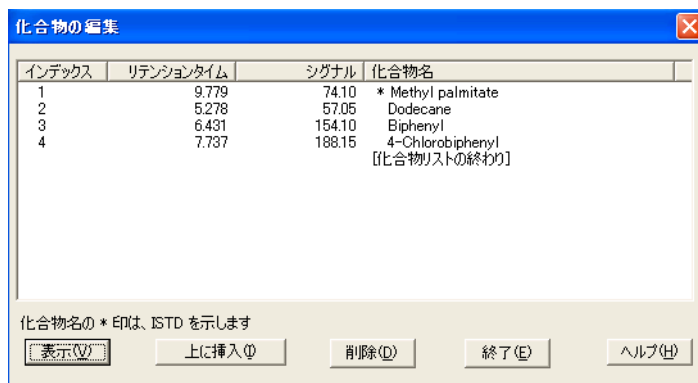
化合物を更新しますか?

はい(Y) いいえ(N) キャンセル

26 [化合物編集 (Edit Compounds)] 画面に戻りました。定量データベースが更新され、使用できる状態になっています。

処理を終了するには、[終了 (Exit)] をクリックします。

ビフェニル、ドデカン、クロロビフェニル、およびメチルパルミテートの同定と定量が可能な定量データベースを含むメソッドが作成できました。

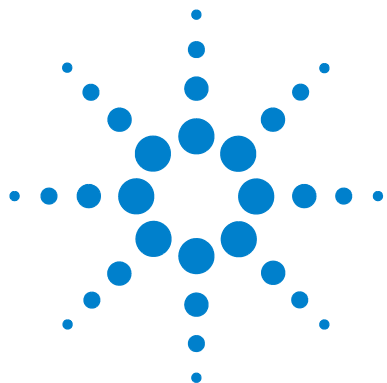


これでチュートリアルは終了です。必要な化合物を使用して独自の定量データベースを簡単にセットアップできるようになりました。

注記

GC/MSD ChemStation の操作方法に関する詳細な手順については、オンラインヘルプを参照してください。

ハードウェアの操作、メンテナンス、およびトラブルシューティングの詳細については、機器に付属している CD-ROM または DVD-ROM を参照してください。



3

Custom Reports を使用する

Custom Reports	84
レポートテンプレートの作成	85
レポートのカスタマイズ	89
セル、行、列の選択	94
レポートの印刷	96
Custom Reports データベースの作成	99
複数のデータファイルの選択	102
グラフの表示と印刷	104
Custom Reports ツールバーボタン	105



Custom Reports

概要

Custom Reports を使用すると、データ解析の定量結果をカスタムレポートスプレッドシートプログラムに転送し、独自のカスタムレポートを作成できます。

また、複数のサンプルからカスタムレポートデータベースをセットアップし、そのデータのグラフを表示および印刷できます。

レポートテンプレートまたはデータベースを作成し、メソッドにリンクすれば、メソッドを実行するたびに自動的にレポートを印刷したり、カスタムレポートデータベースを更新したりできます。

カスタムレポートは定量されたデータに対してのみ使用できます。

はじめに

この章では、カスタムレポートテンプレートまたはデータベースを作成するための基本的な手順の流れを説明します。これは、Custom Reports ソフトウェアに習熟するための第一歩となります。

習熟されましたら、このソフトウェアでいろいろと試してみてください。編集機能や書式設定機能を使用してみましょう。この機能とその仕組みの詳細については、オンラインヘルプを参照してください。

Custom Reports ソフトウェアの開始

[データ解析 (Data Analysis)] 画面で、[**定量 (Quantitate)/ カスタムレポート (Custom Reports)**] をクリックするか、カスタムレポートアイコンをクリックします。



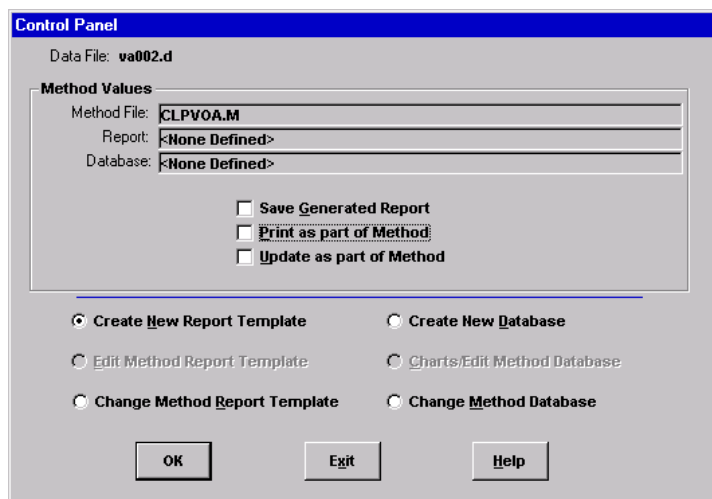
現在のメソッドに定量データベースがない場合、またはデータファイルが読み込まれていない場合は、デフォルト値を使用するかどうか確認されます。

[OK] をクリックします。[**カスタムレポート用紙サイズ (Custom Reports Paper Size)**] ボックスが次に表示されます。用紙サイズを選択して [OK] をクリックします。

レポートテンプレートの作成

Custom Reports ソフトウェアを開始すると、数秒後に コントロールパネル（下図参照）が表示されます。

- 1 [**新規レポートテンプレートの作成 (Create New Report Template)**] を選択して、[OK] をクリックします。



新規レポート
テンプレート作成

メソッドレポート
テンプレート編集

メソッドレポート
テンプレート変更

新規データベース作成

チャート / メソッド
データベース編集

メソッドデータベース
変更

[レポートウィザード (Report Wizard)] を使用して、カスタムレポートテンプレートを作成できます。カスタムレポートテンプレートを修正できます。

メソッドで使用するレポートテンプレートを選択できます。

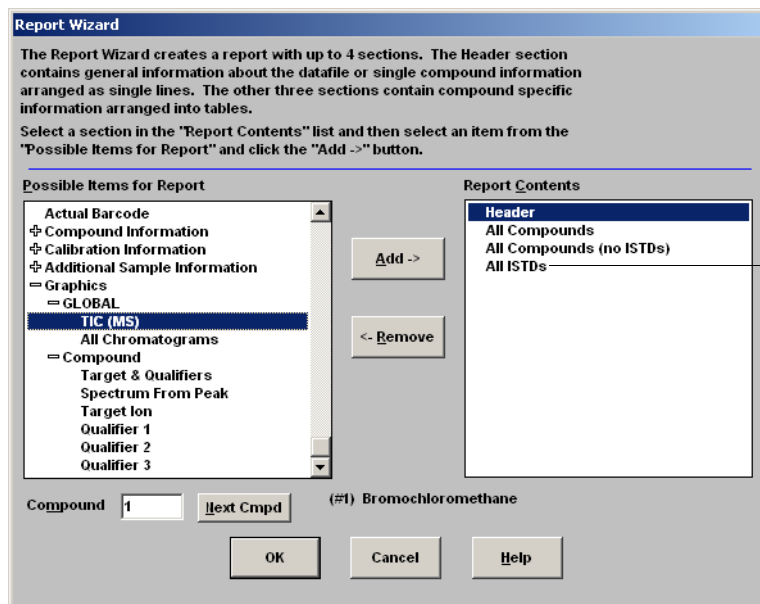
[データベースウィザード (Database Wizard)] を使用して、カスタムレポートデータベースを作成できます。グラフの表示とカスタムレポートデータベースの修正ができます。

メソッドで使用するデータベースを選択できます。

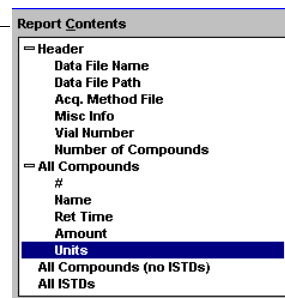
- 2 [レポートウィザード (Report Wizard)] が表示されたら、右側の [**レポート項目 (Report Contents)**] リストから項目を選択します。左側のパネルの [**レポートで利用できる項目 (Possible Items for Report)**] に、レポートテンプレートに選択可能な全項目がリスト表示されます。右側のパネルの [**レポート項目 (Report Contents)**] に、選択した項目がリスト表示されます。
- 3 左側の [**レポートで利用できる項目 (Possible Items for Report)**] リストから項目を選択します。
- 4 選択した項目をダブルクリックするか、[**追加 (Add)**] をクリックします。選択した項目が、右側のリストされた項目の下に追加されます。
- 5 ステップ 1 ～ 4 を繰り返してレポートテンプレートのすべての項目を追加します。[**削除 (Remove)**] を使用して、右側の [**レポート項目 (Report Contents)**] リストから項目を削除できます。
- 6 左側の [**レポートで利用できる項目 (Possible Items for Report)**] リストをスクロールダウンすると、レポートテンプレートに追加できる Graphics 項目があります。Graphics の下にある Globals 項目が [**レポート項目ヘッダー (Reports Content Header)**] セクションに追加されます。一方、Compound 項目は、[**すべての化合物 (All Compound)**] セクションに追加されます。
- 7 [レポートウィザード (Report Wizard)] を使用したレポート項目の選択が終了したら、[**OK**] をクリックします。

選択内容に基づいてレポートテンプレートが作成されます。

- 8 カスタムレポート Sheet1 が表示されます (下図参照)。ここで、[**ファイル (File)/ 保存 (Save)**] を選択するか、[**保存 (Save)**] アイコンをクリックして、レポートテンプレートを保存できます。
- 9 [**メソッドのリンク (Link with Method)**] ボックスが次に表示されます。このダイアログボックスによって、このテンプレートがメソッドのデフォルトとして選択され、メソッドが実行されるたびに自動的に印刷されるようになります。
- 10 [**ファイル (File)/ 終了 (Exit)**] を選択して Custom Reports プログラムを終了します。



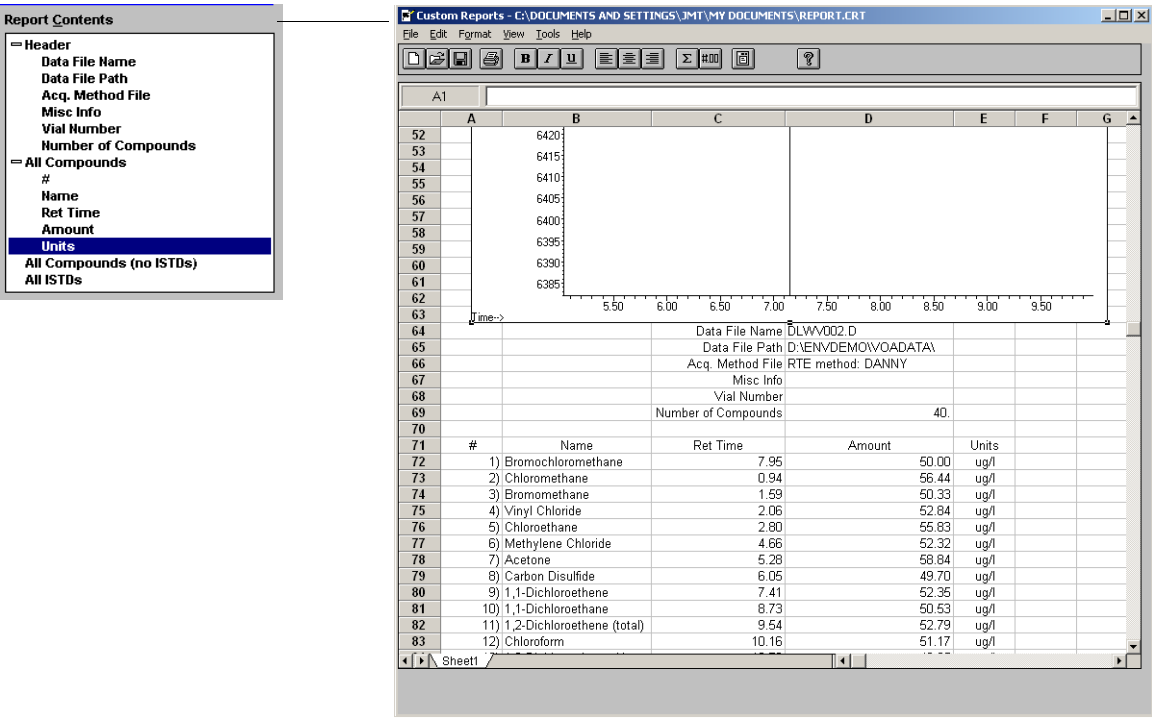
例



+ サブ項目リストを開くには
プラス記号をクリックする

- サブ項目リストを閉じるには
マイナス記号をクリックする

Custom Reports を使用する



レポートのカスタマイズ

レポートの編集

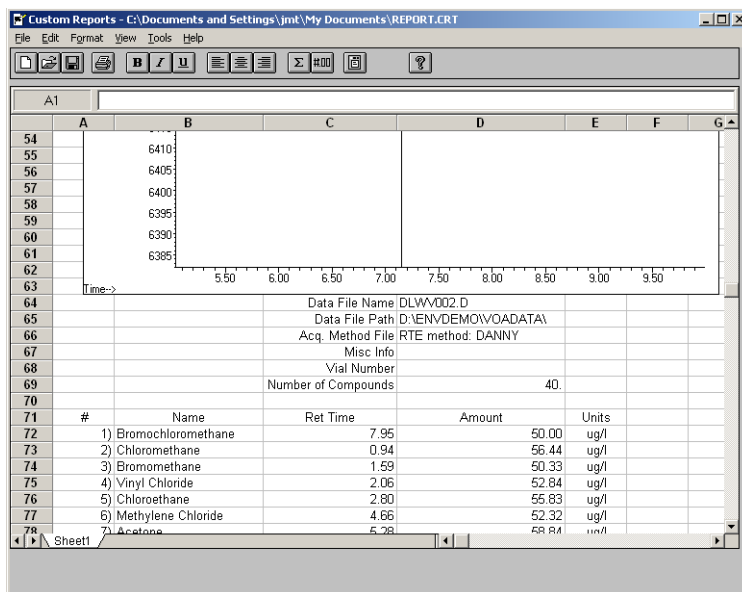
- 1 [定量 (Quantitate)/ カスタムレポート (Custom Reports)] を選択するか、[カスタムレポート (Custom Report)] アイコンをクリックします。[コントロールパネル (Control Panel)] が表示されます。[コントロールパネル (Control Panel)] で、[メソッドレポートテンプレート編集 (Edit Method Report Template) <report.CRT>] を選択します。[メソッドの数値 (Method Values)] の下に [レポート (Report)] が表示されます (<report.CRT> はレポートテンプレートの名前は修正することができます)。



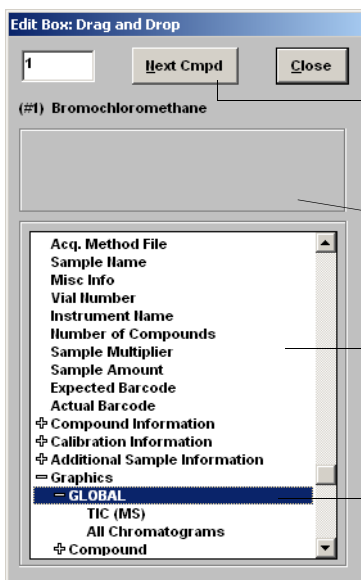
必要とするレポートの名前が表示されない場合、[コントロールパネル (Control Panel)] で [メソッドレポートテンプレート変更 (Change Method Report Template)] を選択し、必要なレポートを選択します。

[コントロールパネル (Control Panel)] が再表示されたら、[メソッドレポートテンプレート編集 (Edit Method Report Template)] を選択します。

[OK] をクリックして、レポートテンプレート <report.CRT> を表示します。



- 2 スプレッドシートのすべてのセルを変更できます。変更するには、[**編集ボックス (Edit Box)**] (下図参照) を使用します。レポートを定期的に保存して変更内容が失われないようにしてください。
- 3 このダイアログボックスにアクセスするには、[**表示 (View)/編集ボックス (Edit Box)**] を選択するか、ツールバーの [**編集ボックス (Edit Box)**] アイコンをクリックします。
- 4 変更が終わったら、レポートテンプレートを保存します。



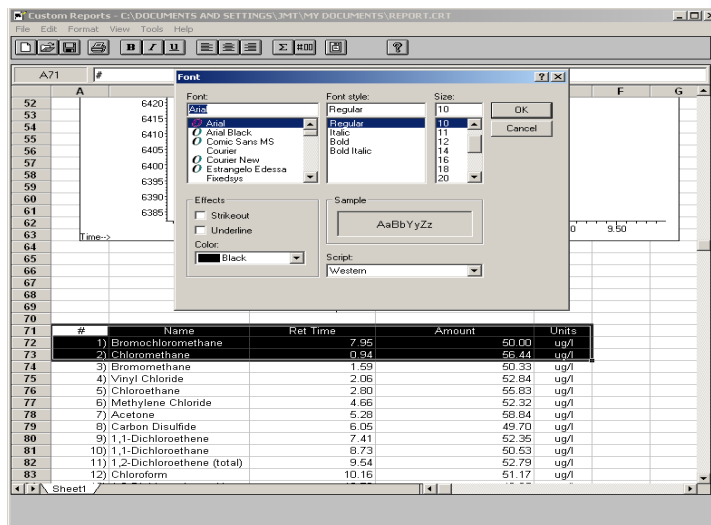
[次の化合物 (Next Cmpd)] ボタンを使用するか、番号を入力して、他の化合物を表示します。

選択された項目の説明と現在の値が表示されます。

項目を選択し、その値をスプレッドシートのセルにドラッグできます。

レポートにグラフィックを追加できます。

レポートの書式設定



レポートテンプレートを作成するとき、レポートの書式は自動的に設定されます。マウス操作またはツールバーを使用して、[フォーマット (Format)] メニューからレポートの書式をカスタマイズできます。レポートテンプレートが保存されるとき、書式の変更も保存されます。

- 1 書式を設定するセル（複数選択可）を反転表示します。
- 2 以下のいずれかの方法で書式を選択します。
 - [フォーマット (Format)] メニューから項目を選択します。ダイアログボックスで選択し、[OK] をクリックします。
 - ツールバーの書式ボタンをクリックします（例：太字変更や左揃えなど）。
 - 列の幅または行の高さを調整します（後述）。
- 3 レポートが希望する書式になるまで続けます。
- 4 定期的にレポートを保存して書式の変更が失われないようにしてください。終了したらレポートテンプレートを保存します。

行の高さまたは列の幅の調整

行の高さを調整する

- 1 カーソルを行番号ボックスの最下部近くにおきます。カーソルが変わります。
- 2 クリックして上下にドラッグし、行を希望する高さに調整します。

列の幅を調節する

- 1 カーソルを列文字の近くに置きます。カーソルが変わります。
- 2 クリックして上下にドラッグし、列を希望する幅に調整します。

複数の行を同じ高さにする

- 1 行番号をクリックアンドドラッグして複数の行を選択します。
- 2 いずれかの行の高さを調整すると、他のすべての行も同じ高さに設定されます。

複数の列を同じ幅にする

- 1 列文字をクリックアンドドラッグし複数の列を選択します。
- 2 いずれかの列の幅を調整すると、他のすべての列も同じ幅に設定出来ます。

レポートの保存

- 1 **[ファイル (File)/ 保存 (Save)]** を選択するか、ツールバーの **[保存 (Save)]** をクリックします。
- 2 ファイル名を入力し（拡張子 .CRT は入力しないでください）、**[保存 (Save)]** をクリックします。**[メソッドとのリンク (Link with Method)]** ダイアログボックスが次に表示されます。このダイアログボックスによって、このテンプレートがメソッドのデフォルトとして選択され、メソッドが実行されるたびに自動的に印刷されるようになります。
- 3 適切なチェックボックスを選択または選択解除し、**[OK]** をクリックします。
- 4 **[ファイル (File)/ 終了 (Exit)]** を選択するか、タイトルバーの **[閉じる (Close)]** をクリックして Custom Reports を終了します。

セル、行、列の選択

セルのグループを選択する

スプレッドシート内でクリックアンドドラッグし、希望するセルのグループを選択します。

行または列を選択する

行番号または列文字をクリックします。

複数の行または列を選択する

行番号または列文字をクリックアンドドラッグします。

複数の連続していない単体セルを選択する

[Ctrl] を押したまま、セルをクリックします。

複数の連続していない行または列を選択する

[Ctrl] を押したまま、行番号または列文字をクリックします。

複数の連続する項目を選択する

選択対象の最初の項目（セル、列、または行）をクリックし、[Shift] を押したまま、グループの最後の項目をクリックします。最初と最後の項目の間にあるすべての項目が選択されます。

列文字

スプレッドシート
全体を選択するに
はここをクリック
します。

行番号

スプレッドシート
セル

Custom Reports - Sheet1

File Edit Format View Help



A1

	A	B	C	D	E	F	G	H
1								
2			Data File Name	VA002.D				
3			Data File Path	C:\HPCHEMMSDEMO\				
4			Acq. Method File	RTE method: RNCAP2				
5			Misc Info	Internal standards & surrogate standards in 5 mLs water				
6			Vial Number	2				
7			Number of Compounds	40.				
8								
9	#	Name	Ret Time	Amount	Units			
10	1)	Bromochloromethane	9.61	50.00	ug/l			
11	2)	Chloromethane	2.10	205.97	ug/l			
12	3)	Vinyl Chloride	2.24	265.07	ug/l			
13	4)	Bromomethane	2.73	205.91	ug/l			
14	5)	Chloroethane	2.98	220.21	ug/l			
15	6)	1,1-Dichloroethene	4.59	126.84	ug/l			
16	7)	Carbon Disulfide	4.92	224.62	ug/l			
17	8)	Acetone	5.27	205.95	ug/l			
18	9)	Methylene Chloride	6.13	156.93	ug/l			
19	10)	1,2-Dichloroethene (total)	6.74	193.30	ug/l			
20	11)	1,1-Dichloroethane	7.79	188.32	ug/l			
21	12)	Chloroform	9.95	189.67	ug/l			
22	13)	1,4-Dichloroethane-d4	10.98	79.70	ug/l			
23	14)	1,2-Dichloroethane	10.98	186.11	ug/l			
24	15)	1,4-Difluorobenzene	11.79	50.00	ug/l			
25	16)	2-Butanone	9.42	196.63	ug/l			
26	17)	1,1,1-Trichloroethane	10.04	181.59	ug/l			
27	18)	Carbon Tetrachloride	10.34	193.75	ug/l			
28	19)	Benzene	10.81	183.19	ug/l			
29	20)	Trichloroethene	12.16	180.64	ug/l			
30	21)	1,2-Dichloropropane	12.59	185.56	ug/l			
31	22)	Vinyl Acetate	13.06	215.22	ug/l			
32	23)	Bromodichloromethane	13.24	184.89	ug/l			
33	24)	cis-1,3-Dichloropropene	14.18	190.43	ug/l			

Sheet1

Created New Report Template

レポートの印刷

レポートテンプレートの作成（または読み込み）

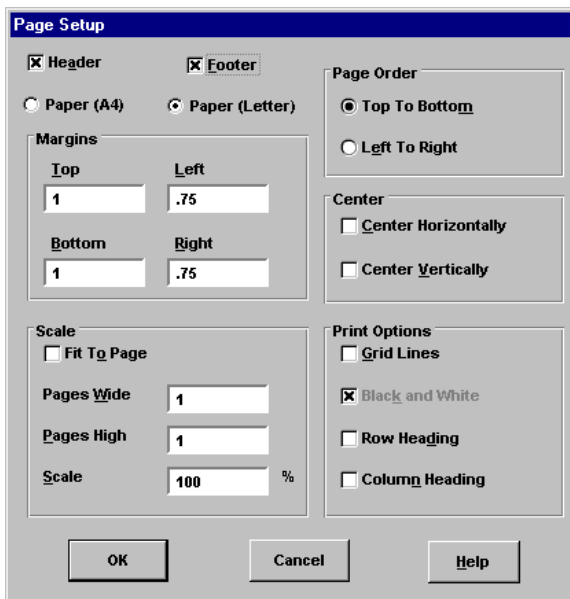
印刷する前にレポートをプレビューする

- 1 **[ファイル (File)/ 印刷プレビュー (Print Preview)]** を選択します。
レポートがプレビューパネルに表示され、印刷したときにどのように見えるかを確認できます。
- 2 ページ間を移動するには、**[次ページ (Next Page)]** および **[前ページ (Prev Page)]** を使用します。
- 3 **[印刷 (Print)]** をクリックします。プレビューパネルが閉じて、レポートが印刷されます。

レポートを印刷する

- 1 **[ファイル (File)/ 印刷 (Print)]** を選択するか、ツールバーの **[印刷 (Print)]** をクリックします。**[印刷 (Print)]** ダイアログボックスが表示されます。
- 2 印刷オプション（印刷範囲、部数、印刷品質）を選択し、**[OK]** をクリックします。

[ファイル (File)/ ページ設定 (Page Setup)] ダイアログボックスを使用して、ページの印刷方法を設定します（詳細については、[ヘルプ (Help)] を参照してください）。



レポートを自動的に印刷する

メソッドが実行されたときにレポートが自動的に印刷されるようにセットアップするには、以下の 2 つの方法があります。

- レポートテンプレートを作成（または読み込み）し、コントロールパネルの [メソッド値 (Method Values)] セクションで [メソッドの中で印刷 (Print as part of Method)] を選択します。
- レポートテンプレートを保存すると、[メソッドとのリンク (Link with Method)] ダイアログボックスが表示されます。
[メソッド実行の中でレポートを印刷 (Print Report as part of the Run Method)] を選択し、[OK] をクリックします。

複数のレポートを自動的に印刷する

- 1 レポートテンプレートを作成（または読み込み）します。
- 2 **[ファイル (File)/ 複数ファイル選択 (Multiple File Select)]** を選択します。**[複数ファイル選択 (Multiple File Select)]** ダイアログボックスが表示されます。
- 3 データファイルがあるディレクトリを選択します（まだ選択されていない場合）。
- 4 印刷するデータファイルを選択します。
 - データファイル名を選択します。
 - 選択したファイルをダブルクリックします（または右向き矢印をクリックします）。
 - **[選択ファイル (Files Selected for Processing)]** セクションにデータファイルすべてがリストされるまで繰り返します。

注記

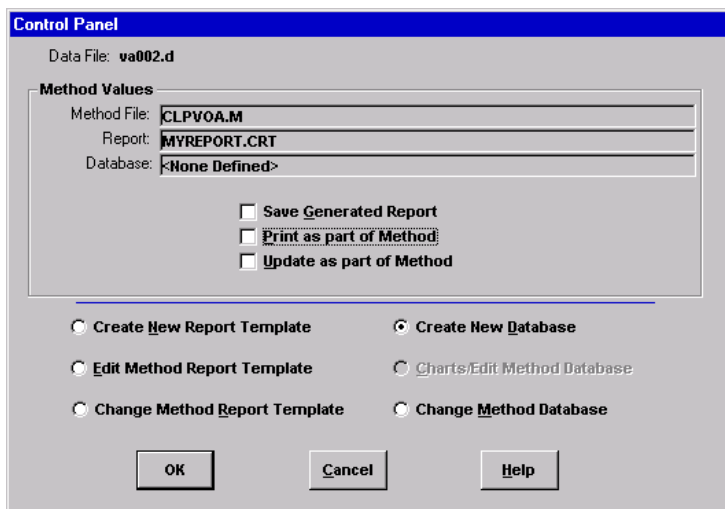
ファイルを個別に選択することも、Windows 標準のファイル選択方法を使用してファイルをグループとして選択することもできます。

- 5 **[OK]** をクリックします。データファイルは、リストされている順序で現在のレポートテンプレートを使用して印刷されます。

Custom Reports データベースの作成

始める前に

- [データ解析 (Data Analysis)] 画面で、[**定量 (Quantitate)/カスタムレポート (Custom Reports)**] を選択します。
- 現在のメソッドに定量データベースがない場合、またはデータファイルが読み込まれていない場合は、デフォルト値を使用するかどうか確認されます。[**はい (Yes)**] をクリックすると、[**コントロールパネル (Control Panel)**] が表示されます（下図参照）。

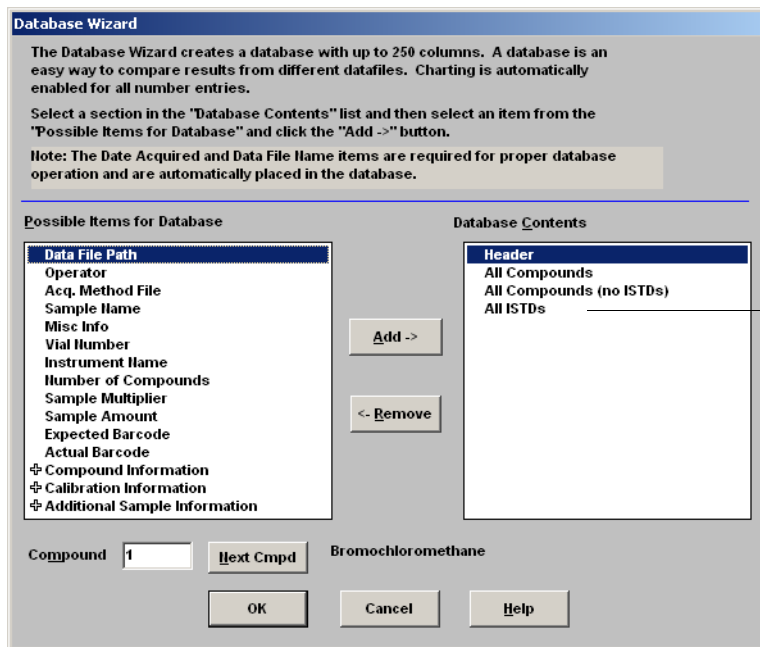


データベースの作成手順

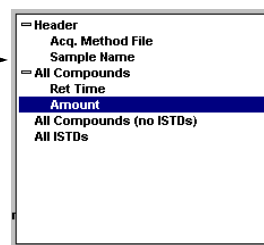
- 1 [コントロールパネル (Control Panel)] で [**新規データベース作成 (Create New Database)**] を選択し、[**OK**] をクリックします。
- 2 [**データベースウィザード (Database Wizard)**] が表示されます。左側の [**データベースで利用できる項目 (Possible Item for Database)**] に、カスタムレポートのデータベース内容として選択可能な項目がすべてリストされます。右側の [**データベース**

Custom Reports を使用する

項目 (Database Contents)] に、カスタムレポートデータベースに組み込むように選択された項目がすべてリストされます。



例

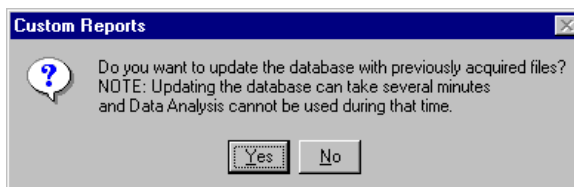


+ サブ項目リストを開くには
プラス記号をクリックする

- サブ項目リストを閉じるには
マイナス記号をクリックする

- 右側のリストから [**データベース項目 (Database Contents)**] のいずれかのセクションを選択します。
- 左側の [**データベースで利用できる項目 (Possible Items for Database)**] リストから項目を選択します。
- 選択した項目をダブルクリックするか、[**追加 (Add)**] をクリックします。選択した項目が、右側のリストされた項目の下に追加されます。
- 項目の選択が終わったら、[**OK**] をクリックします。

[データベースウィザード (Database Wizard)] で [**OK**] をクリックすると、以下のプロンプトが表示されます。

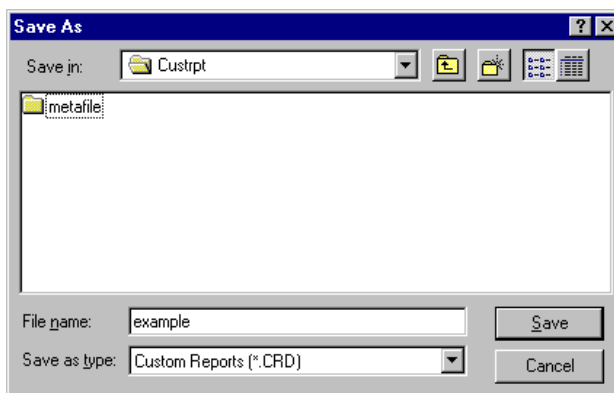


データベースを更新しない場合は、[いいえ (No)] をクリックします。[コントロールパネル (Control Panel)] が表示されます。

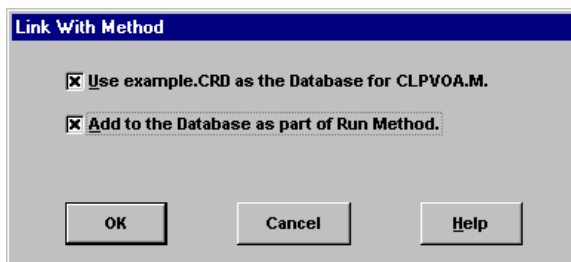
3 上記以外の場合、データベースを更新するには、以下を実行します。

- [はい (Yes)] をクリックします。[複数ファイル選択 (Multiple File Select)] ダイアログボックスが表示されます。データベースに追加するデータファイルを選択し、[OK] をクリックします。

4 [名前を付けて保存 (Save As)] ダイアログボックスが表示されたら、ファイル名を入力して [保存 (Save)] をクリックします。



5 [メソッドとのリンク (Link With Method)] ダイアログボックスが表示されたら、適切なチェックボックスを選択 / 選択解除して [OK] をクリックします。これでデータベースが更新されました。

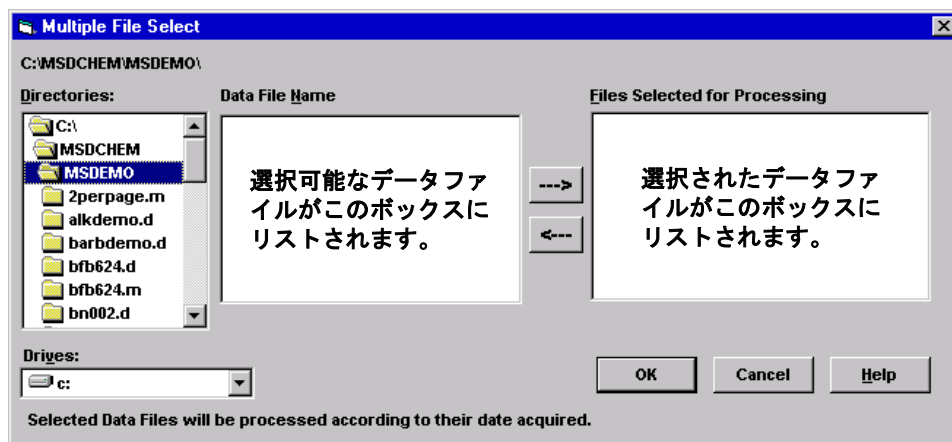


複数のデータファイルの選択

複数のレポートを印刷したり、これ以前に取得した複数のデータファイルをデータベースに読み込んだりする場合、このダイアログボックスを使用します。

このダイアログボックスにアクセスするには、[**ファイル (File)/ 複数ファイル選択 (Multiple File Select)**] を選択します。

- 1 データファイルのあるディレクトリを選択します。
- 2 [**データファイル名 (Data File Name)**] ボックスで使用するデータファイルを選択するか、右向き矢印をクリックします (またはファイル名をダブルクリックします)。
- 3 [**OK**] をクリックして選択したデータファイル进行处理します。



連続する複数ファイルの選択

選択対象の最初のファイルをクリックし、グループの最後のファイルまでマウスをドラッグします。

または

選択対象の最初のファイルをクリックします。[Shift] を押したまま、グループの最後のファイルをクリックします。

連続していない複数ファイルの選択

[Ctrl] を押したまま、各ファイルをクリックします。

選択の取り消し

[Ctrl] を押したまま、選択されたファイルをクリックします。

レポートでは

選択されたデータファイルは、現在のレポートテンプレートを使用して印刷されます。レポートはリストされたファイルの順序で印刷されます。

データベースでは

選択されたデータファイルは、現在のデータベースに読み込まれます。ファイルは、データベースに追加されたときに取得された日付の時系列で自動的にソートされます。

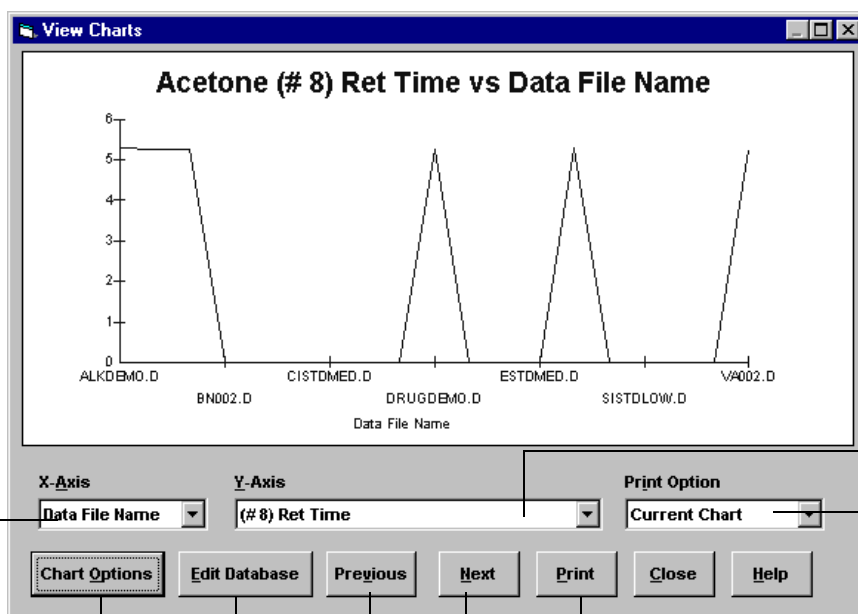
グラフの表示と印刷

[コントロールパネル (Control Panel)] で [**チャート (Charts)/メソッドデータベース編集 (Edit Method Database)**] を選択すると、以下のダイアログボックスが表示されます。カスタムレポートのツールバーから [**チャート (Charts)**] をクリックするか、[**チャート (Charts)/チャート表示 (View Charts)**] を選択します。このダイアログボックスを使用して、データベースにあるデータのグラフを表示および印刷します。

注記

[**個別チャートオプション (Individual Chart Options)**] ダイアログボックスを表示するには、グラフをクリックします。

グラフの X 軸にする項目を選択します。デフォルトはデータファイル名とデータ測定日です。



グラフの Y 軸にする項目を選択します (数値項目のみ使用できます)。

現在のグラフ、またはデータベース内のすべてのグラフを印刷できます。

[チャートオプション (Chart Options)] ダイアログボックスを表示します。

Y 軸選択ボックスにリストされている前または次のグラフに移動します。

[チャート表示] ダイアログボックスを閉じて、コントロールパネルを表示します。

[**チャート表示 (View Charts)**] ダイアログボックスを終了し、現在のデータベースを編集できます。

現在のグループまたは印刷オプションで指定されたすべてのグラフを印刷します。

Custom Reports ツールバーボタン



コントロールパネルを表示します。



選択されたセルの内容を中央揃えにします。



カスタムレポートテンプレートファイル (.crt) またはデータベースファイル (.crd) を開きます。



選択されたセルの内容を右揃えにします。



レポートまたはデータベースを保存し、[メソッドとのリンク (Link With Method)] ダイアログボックスを表示します。



選択されたセルに、それより上のセルの合計を計算する式を挿入します。



レポートまたはデータベースを印刷します。



[カスタムフォーマット (Custom Format)] ダイアログボックスを表示します。



選択されたテキストに対して太字書式を適用します (または除去します)。



[編集ボックス: ドラッグ & ドロップ (Edit Box: Drag & Drop)] ダイアログボックスを表示します。



選択されたテキストに対して斜体書式を適用します (または除去します)。



[チャート表示 (View Charts)] ダイアログボックスを表示します。このボタンはデータベースのみに使用できます。



選択されたテキストに対して下線書式を適用します (または除去します)。



オンラインヘルプの [目次 (Contents)] ページを表示します。



選択されたセルの内容を左揃えにします。



© Agilent Technologies, Inc.

Printed in USA, 2006 年 6 月



G1701-96061